

Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук
Новосибирский национальный исследовательский государственный университет
Institute of Cytology and Genetics, Siberian Branch of the Russian Academy of Sciences
Novosibirsk State University



PlantGen2025

ГЕНЕТИКА, ГЕНОМИКА,
БИОИНФОРМАТИКА
И БИОТЕХНОЛОГИЯ РАСТЕНИЙ

8-я Международная научная конференция
2–5 июля 2025, ИЦИГ СО РАН, Новосибирск, Россия

PLANT GENETICS, GENOMICS,
BIOINFORMATICS AND BIOTECHNOLOGY

8th International Scientific Conference
July 2–5, 2025, ICG SB RAS, Novosibirsk, Russia

Программа
Program



ФЕНОМИКА

ГЕНЕРАЛЬНЫЙ СПОНСОР

Организаторы / Organizers



Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук (ИЦиГ СО РАН)
Institute of Cytology and Genetics, Siberian Branch of the Russian Academy of Sciences (ICG SB RAS)



Новосибирский национальный исследовательский государственный университет (НГУ)
Novosibirsk State University (NSU)



Курчатовский геномный центр ИЦиГ СО РАН, проект № 075-15-2025-516
Kurchatov Genomic Center of ICG SB RAS, grant No. 075-15-2025-516



Межрегиональная общественная организация
Вавиловское общество генетиков и селекционеров (МОО ВОГиС)
The Vavilov Society of Geneticists and Breeders (VSGB)



Новосибирская областная общественная организация
Вавиловское общество генетиков и селекционеров (НООО ВОГиС)
The Vavilov Society of Geneticists and Breeders (Novosibirsk Branch)

Организационный комитет

сотрудники ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия

Сопредседатели

Салина Елена Артемовна, чл.-кор. РАН, д.б.н., проф., г.н.с.,
руководитель отдела молекулярной генетики растений
Зубова Светлана Васильевна, руководитель сектора

Члены Организационного комитета

Батухтин Георгий Валерьевич, редактор
Иванов Роман Артемович, м.н.с., программист
Игнатъева Ольга Валерьевна, юристконсульт
Калачикова Светлана Викторовна, инженер I кат.
Карамышева Татьяна Витальевна, к.б.н., с.н.с.
Киселёва Антонина Андреевна, к.б.н., с.н.с.
Коваль Василий Сергеевич, к.б.н., вед. специалист
Линкевич Павел Евгеньевич, вед. инж.-программист
Смирнова Ольга Григорьевна, к.б.н., с.н.с.
Токпанов Ерлан Аскарлович, начальник отдела
Харкевич Андрей Владимирович, вед. специалист
Чалкова Татьяна Федоровна, начальник отдела
Черкавский Андрей Дмитриевич, программист

Organizing Committee

employees of ICG SB RAS, Novosibirsk, Russia

Co-Chairs

Elena Salina, Corr. Member of the RAS, Dr. Sci., Prof.,
Head of the Plant Molecular Genetics Department
Svetlana Zubova, Head of Department

Members of the Organizing Committee

Georgy Batukhtin, Editor
Tatiana Chalkova, Head of Department
Andrey Cherkavsky, Programmer
Olga Ignatyeva, Legal Adviser
Roman Ivanov, Young Researcher, Programmer
Svetlana Kalachikova, 1st category Engineer
Tatiana Karamysheva, Ph.D., Senior Researcher
Andrey Kharkevich, Senior Specialist
Antonina Kiseleva, Ph.D., Senior Researcher
Vasily Koval, Ph.D., Senior Specialist
Pavel Linkevich, Chief Programme Engineer
Olga Smirnova, Ph.D., Senior Researcher
Erlan Tokpanov, Head of Department

Контакты / Contacts

Электронная почта / Email: PlantGen2025@bionet.nsc.ru
Сайт конференции / Website of Conference: conf.icgbio.ru/plantgen2025/
Адрес: 630090, Новосибирск, проспект Академика Лаврентьева, 10
Address: Prospekt Lavrentyeva 10, Novosibirsk, 630090, Russia
Тел. / Phone: +7(383) 363 4977, факс / Fax: +7(383) 333 1278
Сайт ИЦиГ СО РАН / Website of ICG SB RAS: icgbio.ru

Программный комитет

Сопредседатели

Кочетов Алексей Владимирович, академик РАН, д.б.н., профессор РАН, директор, ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия
Салина Елена Артемовна, чл.-кор. РАН, д.б.н., профессор, руководитель отдела молекулярной генетики растений, ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия

Члены Программного комитета

Афанасенко Ольга Сильвестровна, академик РАН, д.б.н., зав. лабораторией, ВИЗР, Санкт-Петербург, Россия
Афонников Дмитрий Аркадьевич, д.б.н., доцент, в.н.с., ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия
Беспалова Людмила Андреевна, академик РАН, д.с.-х.н., зав. отделом, ФГБНУ «Национальный центр зерна им. П.П. Лукьяненко», Краснодар, Россия
Гавриленко Татьяна Андреевна, д.б.н., г.н.с., зав. отделом, Всероссийский институт растениеводства им. Н.И. Вавилова (ВИР), Санкт-Петербург, Россия
Гончаров Николай Петрович, академик РАН, д.б.н., г.н.с., ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия
Горшкова Татьяна Анатольевна, д.б.н., профессор, зав. лабораторией, КИББ КазНЦ РАН, Казань, Россия
Карлов Геннадий Ильич, академик РАН, д.б.н., профессор, директор, ФГБНУ ВНИИСБ, Москва, Россия
Колчанов Николай Александрович, академик РАН, д.б.н., научный руководитель, ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия
Корзун Виктор Николаевич, почетный доктор, ведущий руководитель по научным вопросам в Европе, KWS SAAT SE & Co. KGaA, Айнбек, Германия
Косолапов Владимир Михайлович, академик РАН, д.с.-х.н., профессор, научный руководитель ФНЦ «ВИК им. В.Р. Вильямса», Лобня, Россия
Кочиева Елена Зауровна, д.б.н., профессор, г.н.с., ФИЦ Биотехнологии РАН, Москва, Россия
Крутовский Константин Валерьевич, Гёттингенский университет, Гёттинген, Германия; к.б.н., в.н.с., ИОГен, Москва, Россия
Леонова Ирина Николаевна, д.б.н., в.н.с., ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия
Лутова Людмила Алексеевна, д.б.н., профессор, заместитель декана, СПбГУ, Санкт-Петербург, Россия
Митрофанова Ирина Вячеславовна, чл.-кор. РАН, д.б.н., г.н.с., зав. научно-исследовательским отделом, Главный ботанический сад им. Н.В. Цицина РАН, Москва, Россия
Моргун Алексей Иванович, к.с.-х.н., преподаватель, Казахский национальный университет им. Аль Фараби, Алматы, Республика Казахстан
Партоев Курбонали, д.с.-х.н., профессор, зав. лабораторией, Институт ботаники, физиологии и генетики растений НАН Таджикистана, Душанбе, Республика Таджикистан
Пonomарева Мира Леонидовна, д.б.н., профессор, г.н.с., ТатНИИСХ ФИЦ КазНЦ РАН, Казань, Россия
Потокина Елена Кирилловна, д.б.н., профессор, Сколковский институт науки и технологий, Москва, Россия
Прянишников Александр Иванович, чл.-кор. РАН, д.с.-х.н., профессор РАН, директор Департамента, АО «Щелково Агрохим», Москва, Россия
Туруспеков Ерлан Кенесбекович, академик НАН РК при Президенте Республики Казахстан, к.б.н., профессор, зав. лабораторией, Институт биологии и биотехнологии растений, Алматы, Республика Казахстан
Федорук Михаил Петрович, чл.-кор. РАН, д.ф.-м.н., профессор, ректор, Новосибирский национальный исследовательский государственный университет, Новосибирск, Россия
Хлесткина Елена Константиновна, чл.-кор. РАН, д.б.н., профессор РАН, директор, Всероссийский институт растениеводства имени Н.И. Вавилова (ВИР), Санкт-Петербург, Россия
Шумный Владимир Константинович, академик РАН, д.б.н., профессор, советник РАН, ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, Россия

Programme Committee

Co-Chairs

Alexey Kochetov, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Elena Salina, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia

Members of the Programme Committee

Olga Afanasenko, All-Russia Institute of Plant Protection, St. Petersburg, Russia
Dmitry Afonnikov, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Lyudmila Bespalova, National Center of Grain named after P.P. Lukyanenko, Krasnodar, Russia
Mikhail Fedoruk, Novosibirsk State University, Novosibirsk, Russia
Tatiana Gavrilenko, Federal Research Center the N.I. Vavilov All-Russia Institute of Plant Genetic Resources, St. Petersburg, Russia
Nikolay Goncharov, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Tatyana Gorshkova, Kazan Institute of Biochemistry and Biophysics of the KazSC RAS, Kazan, Russia
Gennady Karlov, All-Russia Research Institute of Agricultural Biotechnology, Moscow, Russia
Elena Khlestkina, Federal Research Center the N.I. Vavilov All-Russia Institute of Plant Genetic Resources, St. Petersburg, Russia
Elena Kochieva, Federal Research Center Fundamentals of Biotechnology RAS, Moscow, Russia
Nikolay Kolchanov, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Viktor Korzun, KWS SAAT SE & Co. KGaA, Einbeck, Germany
Vladimir Kosolapov, Federal Williams Research Center of Forage Production & Agroecology, Lobnya, Russia
Konstantin Krutovskiy, Georg-August University of Göttingen, Göttingen, Germany
Irina Leonova, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Lyudmila Lutova, SPbU, St. Petersburg, Russia
Irina Mitrofanova, Main Botanical Garden RAS, Moscow, Russia
Alexey Morgunov, Farabi University, Almaty, Kazakhstan
Kurbonali Partoev, Institute Botany, Plant Physiology and Genetics of the Academy Science of the Republic of Tajikistan, Dushanbe, Tajikistan
Mira Ponomareva, Tatar Research Institute of Agriculture FRC KazSC RAS, Kazan, Russia
Elena Potokina, Skolkovo Institute of Science and Technology (Skoltech), Moscow, Russia
Alexander Pryanishnikov, JSC "Schelkovo Agrohim", Moscow, Russia
Vladimir Shumnyy, Institute of Cytology and Genetics of SB RAS, Novosibirsk, Russia
Erlan Turuspekov, IPBB, Almaty, Kazakhstan

МЕСТО ПРОВЕДЕНИЯ КОНФЕРЕНЦИИ: Академпарк (Технопарк)
Новосибирского Академгородка. Адрес: ул. Николаева, 12 (правая башня Технопарка)

CONFERENCE VENUE: Akadempark (Technopark) of Novosibirsk Akademgorodok.
Address: Nikolaeva St., 12 (right tower of Technopark)

2 июля, среда / July 2nd, Wednesday

Время Time	Мероприятие Event	Детали Details
ХОЛЛ 1-го ЭТАЖА / HALL ON THE 1st FLOOR		
с 09:00	Регистрация участников Participant Registration	Регистрация будет продолжаться все дни конференции Registration will continue throughout all conference days
10:00– 13:00	Культурная программа (запись на регистрации) Cultural Program (Registration Required)	Экскурсия в оранжереи Ботанического сада СО РАН Экскурсия в Историко-архитектурный музей под открытым небом Excursion to the Greenhouses of the Central Siberian Botanical Garden SB RAS Excursion to the Historical and Architectural Open-Air Museum
БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR		
13:30– 13:45	Открытие конференции PlantGen2025 Opening of the PlantGen2025	Приветственные слова организаторов конференции Welcome speech by the conference organizers
13:45– 18:05	Пленарная сессия (с двумя перерывами на кофе-брейки) ☕ Plenary Session (with two coffee breaks) ☕	Пленарные доклады Plenary Talks 1. Г.И. Карлов; 2. Е. Туруспеков; 3. Е.К. Хлесткина; 4. К.В. Крутовский; 5. А.И. Моргунов. 6. И.С. Аристархов Выступления спонсоров Sponsor Presentations 1. ООО «Феномика»; 2. ООО «Пластилин»; 3. ООО «Компания «Азимут фотоникс»; 4. ООО «Фарма»
18:05– 18:30	Закрытие Школы молодых ученых PlantGen School 2025 Closing of the PlantGen School 2025 for Young Scientists	Подведение итогов, вручение сертификатов участникам Summarizing results, awarding certificates to participants
19:30– 22:30	Приветственный фуршет Welcome Reception	Для всех очных участников For all in-person participants

13:30–13:45

ОТКРЫТИЕ КОНФЕРЕНЦИИ PlantGen2025
OPENING OF THE PlantGen2025 CONFERENCE

Приветственные слова организаторов конференции
Welcome speech by the conference organizers

СЕКЦИИ КОНФЕРЕНЦИИ / CONFERENCE SECTIONS

- 1** Структура и эволюция генома растений, сравнительная геномика
Plant genome structure and evolution, comparative genomics
- 2** Генетический контроль формирования фенотипических признаков растений
Genetic regulation of phenotypic traits formation in plants
- 3** Молекулярно-генетический контроль физиологических процессов у растений
Molecular and genetic regulation of plant physiological processes
- 4** Генетическая инженерия и биотехнология растений
Genetic engineering and plant biotechnology
- 5** Высокопроизводительное фенотипирование растений: методы и применение
High throughput phenotyping of plants: methods and applications

Пленарные доклады / Plenary Talks

13:45–14:15 **Карлов Геннадий Ильич**, академик РАН, д.б.н., директор, Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии (ВНИИСБ), Москва, Россия
Генетические технологии нового поколения в селекции растений: от фундаментальных исследований к практическим результатам

14:15–14:45 **Турсупеков Ерлан Кенесбекович**, академик НАН РК при Президенте Республики Казахстан, к.б.н., профессор, зав. лабораторией, Институт биологии и биотехнологии растений, Алматы, Казахстан
Перспективы геномной селекции пшеницы в Казахстане

Выступления спонсоров / Sponsor Presentations

14:45–15:00 **Junli Ye**, General Manager of Greenpheno, Wuhan City, China
Full – scale Phenotypic Equipment for Animals and Plants and Its Applications
Генеральный спонсор ООО «Феномика»  **ФЕНОМИКА**

15:00–15:15 **Медведев Дмитрий Олегович**, генеральный директор
Передовые генетические технологии ООО «Пластилин» для сельского хозяйства: преемственность, перемены, перспективы  **PLASTILIN**

15:15–15:35 Кофе-брейк / Coffee Break 

Продолжение пленарных докладов / Plenary Session Continues

15:35–16:05 **Хлесткина Елена Константиновна**, член-корреспондент РАН, профессор РАН, д.б.н., директор ВИР, Санкт-Петербург, Россия
«Скрытые» коллекции и генетические технологии в Институте Вавилова

16:05–16:35 **Крутовский Константин Валерьевич**, профессор, Гёттингенский университет, Гёттинген, Германия; к.б.н., в.н.с., ИОГен, Москва, Россия; профессор, Сибирский федеральный университет, Красноярск, Россия
Изучение генетического контроля адаптивных признаков и адаптивного потенциала древесных растений в контексте изменения климата с использованием дендрогеномики и популяционно-геномных подходов

Выступления спонсоров/ Sponsor Presentations

16:35–16:50 **Таганов Александр Олегович**, руководитель направления гиперспектральные камеры и оборудование для изучения биологических объектов, ООО «Компания «АЗИМУТ ФОТОНИКС», Москва, Россия
Оборудование для изучения биологических объектов: растений, животных и сред их обитания



16:50–17:05 **Воротилина Виктория Викторовна**, менеджер, ООО «Фарма», Москва, Россия
Современные решения для лабораторий генетики (предварительная обработка образцов, электрофорез в геле, детекция)  **ФАРМА**

17:05–17:25 Кофе-брейк / Coffee Break 

Продолжение пленарных докладов / Plenary Session Continues

17:25–17:55 **Моргунов Алексей Иванович**, к.с.-х.н., преподаватель, Казахский Национальный Университет им. Аль Фараби, Алматы, Казахстан
25 лет Казахстанско-Сибирской сети по улучшению яровой пшеницы: взаимодействие генотип-среда, мягкая vs твердая, эффекты генов и чемпионы урожайности

17:55–18:05 **Аристархов Иван Сергеевич**, исполнительный директор Агробиотехнопарк RUSSED, Республика Адыгея
Агробиотехнопарк RUSSED: инфраструктура для создания и внедрения передовых разработок в области биотехнологии

18:05–18:30 **Закрытие Школы молодых ученых PlantGen School 2025**
Closing of the PlantGen School 2025 for Young Scientists

19:30–22:30 **Приветственный фуршет (для всех участников конференции)**
Welcome Reception (for all in-person participants)

3 июля, четверг / July 3rd, Thursday

Время Time	Мероприятие Event	Детали Details	Параллельные заседания Parallel sessions
		БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ GREAT HALL, 2 nd FLOOR	КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛ № 2, 2-й ЭТАЖ CONFERENCE HALL No. 2, 2 nd FLOOR
09:30– 11:10	Утренняя сессия Параллельные заседания Morning Session Parallel sessions	Работа Секции 1 Section 1	Мастер-класс от Workshop by ООО «Феномика» (1,5 ч)
11:10– 11:35	Кофе-брейк/ Coffee Break ☕		
11:35– 13:00	Утренняя сессия Параллельные заседания Morning Session Parallel sessions	Работа Секции 1 Section 1 Выступления спонсоров Sponsor Presentations: ООО «Интерген», ООО «ТД «Химмед»	Мастер-класс от Workshop by ООО «Компания «Азимут фотоникс» (1,5 ч)
13:25– 14:45	Обед / Lunch ☕		
13:30–	Культурная программа Cultural Program	Экскурсия Excursion	
14:30– 15:30	Вечерняя сессия Afternoon Session	Устные флеш-доклады молодых ученых по Секциям 1 и 2 Flash Talks by Young Scientists (Sections 1 & 2) (доклады по 2 минуты) (2-minute presentations)	
15:30– 15:50	Кофе-брейк/ Coffee Break ☕		
15:50– 17:35	Вечерняя сессия Параллельные заседания Afternoon Session Parallel sessions	Работа Секции 2 Section 2	Мастер-класс от Workshop by ООО «Фарма» (с 15:50 до 17:20, 1,5 ч)
ХОЛЛ 3-го ЭТАЖА / HALL ON THE 3rd FLOOR			
17:35– 19:00	Постерная сессия (чай, кофе, вода) Poster Session (tea, coffee, water provided)	По Секциям 1 и 2 Sections 1 and 2	

09:30–13:00 УТРЕННЯЯ СЕССИЯ / MORNING SESSION**Секция 1. Структура и эволюция генома растений, сравнительная геномика**
Section 1. Plant genome structure and evolution, comparative genomics**09:30–11:10 Устные доклады / Oral Presentations**

09:30– 09:50	Meshcherov Azat Rustemovich / Мещеров Азат Рустемович	Experimental evolution reveals temperature-dependent phenotypic and genomic changes in <i>Verticillium alfalfae</i> , the causative agent of alfalfa Wilt	Project Center for Agro Technologies, Skolkovo Institute of Science and Technology, Skoltech, Moscow, Russia
09:50– 10:05	Меркулов Павел Юрьевич	Транскриптомные и эпигенетические изменения, вызванные новыми инсерциями мобильных элементов в геноме <i>Arabidopsis thaliana</i>	Московский физико-технический институт, Долгопрудный, Россия
10:05– 10:20	Руденко Валентина Михайловна	Множественные дивергированные дисперсные повторы в геноме риса	ФИЦ «Фундаментальные основы биотехнологии» Российской академии наук, Москва, Россия
10:20– 10:35	Dibrova Darya Vladimirovna / Диброва Дарья Владимировна	The pyCOGNAT approach for comparative analysis of genomes of chloroplasts and plastids	Belozersky Institute of Physico-Chemical Biology, School of Bioengineering and Bioinformatics, Lomonosov Moscow State University, Moscow, Russia
10:35– 10:55	Каретников Дмитрий Игоревич	Анализ вариаций в геномах картофеля на основе данных полногеномного секвенирования	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
10:55– 11:10	Соколюк Анна Владимировна	Исследование изменчивости хлоропластного генома секалотритикум методом NGS	Институт генетики и цитологии НАН Беларуси, Минск, Республика Беларусь

11:10–11:35 Кофе-брейк / Coffee Break ☕

11:35–13:00 Устные доклады / Oral Presentations

11:35– 11:55	Klepikova Anna Vladimirovna / Клепикова Анна Владимировна	iTraVA: transcriptome map of <i>Arabidopsis thaliana</i> alternative isoforms	Vavilov Institute of General Genetics, RAS, Moscow, Russia
-----------------	---	---	--

11:55– 12:10	Kasianova Alexandra Mikhailovna / Касьянова Александра Михайловна	Comparative analysis of the evolutionary dynamics of alternative splicing in <i>Arabidopsis thaliana</i> and <i>Solanum lycopersicum</i>	Skolkovo Institute of Science and Technology, Moscow, Russia
12:10– 12:25	Muhammad Ammar Bashir	Comparative Transcriptome Analysis of Embryogenic and Non-Embryogenic Callus of Tartary Buckwheat	Skolkovo Institute of Science and Technology, Moscow, Russia
12:25– 12:40	Pronozin Artyom Yurievich / Пронозин Артем Юрьевич	A pan-transcriptome scale study of long non-coding RNA diversity in maize	Institute of Cytology and Genetics, SB RAS, Novosibirsk, Russia
12:40– 12:55	Prokopchuk Sofia Romanovna / Прокопчук Софья Романовна	Inferring genetic basis of short-style homostyly and self- compatibility in a KK8 mutant of common buckwheat	Skolkovo Institute of Science and Technology, Moscow, Russia
12:55– 13:10	Войлокова Вера Николаевна, руководитель департамента Life Science	Специфика выделения НК из растительных объектов: от ручного метода до автоматизации	Спонсор ООО «ТД «Химмед», Россия 
13:10– 13:25	Nir Katzir, СТО (техниче- ский директор)	Современные методы цитогенетического анализа с использованием компьютерно-цифровых решений	Спонсор Компания ASI, Израиль. Доклад от компании ООО «Интерген», Москва, Россия 

КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛ № 2, 2-й ЭТАЖ / CONFERENCE HALL No. 2, 2nd FLOOR

09:30–13:00 ПАРАЛЛЕЛЬНОЕ ЗАСЕДАНИЕ / PARALLEL SESSIONS

09:30–11:00 **Мастер-класс от / Workshop by** ООО «Феномика»
Спектральный анализ растений. Обзор технологий.
Возможности машинного обучения и искусственного интеллекта
Проводят/ **Presenters:** Патрин Максим Михайлович
и Ситников Максим Александрович



11:35–13:00 **Мастер-класс от / Workshop by** ООО «Компания «Азимут Фотоникс»
по работе с портативными устройствами, позволяющими анализировать
растения спектральными методами. Проводит/ **Presenters:** Таганов
Александр Олегович, руководитель направления Гиперспектральные
камеры и оборудование для изучения биологических объектов



13:25–14:45 Обед / Lunch 

14:45–17:30 ВЕЧЕРНЯЯ СЕССИЯ/ AFTERNOON SESSION

14:45–15:30 Устные флэш-доклады молодых ученых по секциям 1 и 2
(доклады по 2 минуты)
Flash Talks by Young Scientists: Sections 1 & 2
(2-minute presentations)

Устные флэш-доклады Секции 1 / Section 1 flash talks

1	Сигова Елизавета Александровна	Геномное разнообразие фитопатогена льна <i>Colletotrichum lini</i>	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, Москва, Россия
2	Серганова Мелания Алексеевна	Создание и характеристика инсерционной коллекции <i>Arabidopsis thaliana</i> для изучения мобилома и функциональной геномики	Московский физико-технический институт, Москва, Россия
3	Некрашевич Андрей Юрьевич	Анализ геномов органелл <i>Solanum hjertingii</i>	Белорусский государственный университет, Минск, Республика Беларусь
4	Иванов Михаил Михайлович	Поиск редко встречающихся генов путем сравнительного анализа митохондриальных геномов зеленых растений, красных водорослей и фотосинтезирующих протистов	МГУ им. М.В. Ломоносова, Москва, Россия
5	Ganaeva Darya Rassovna / Ганаева Дарья Рассовна	Analysis of recent polyploid gene evolution on the example of <i>Capsella bursa-pastoris</i> (Shepherd's Purse)	Vavilov Institute of General Genetics, RAS, Moscow, Russia
6	Юдина Софья Всеволодовна	Филогения микогетеротрофного рода <i>Epirixanthes</i> (Polygalaceae, Fabales): уточнение числа видов и морфологическая эволюция	Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, МГУ им. М.В. Ломоносова, Москва, Россия
7	Казанцев Михаил Юрьевич	Структурные и эволюционные особенности активных ретротранспозонов подсолнечника	Московский физико-технический институт, Долгопрудный, Россия
8	Haoyu Chao	Advancing Plant Telomere-to-Telomere Genome Research with PlanT2T	Department of Bioinformatics, College of Life Sciences, Zhejiang University, Hangzhou, China
9	Wang Zixuan	An Integrated gene regulatory network for citrus based on transfer learning	Department of Bioinformatics, College of Life Sciences, Zhejiang University, Hangzhou, China

Устные флэш-доклады Секции 2 / Section 2 flash talks

1	Barkovskaya Anastasia Mikhailovna / Барковская Анастасия Михайловна	Deciphering molecular mechanism underlying 10-stamen phenotype in <i>Capsella bursa-pastoris</i>	Skolkovo Institute of science and Technology, Moscow, Russia
2	Berezhnaya Alina Alexandrovna / Бережная Алина Александровна	Impact of genome-edited PPD-1 promoter mutations on diurnal expression rhythms and heading time in <i>Triticum aestivum</i> L.	ICG SB RAS, Novosibirsk, Russia
3	Буланов Андрей Николаевич	Молекулярно-генетическое изучение генов биосинтеза антоцианов, контролирующих окраску зерновки у ржи	Санкт-Петербургский филиал Института общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Санкт-Петербург, Россия
4	Денисов Антон Александрович	Поиск генов, вовлеченных в регуляцию синтеза проантоцианидинов в зерне ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.), на основе анализа транскриптомных данных	Институт цитологии и генетики СО РАН, Новосибирский государственный университет, Новосибирск, Россия
5	Drozd Elizaveta Valerievna / Дрозд Елизавета Валерьевна	Using molecular genetic testing and field evaluation methods to develop new tomato breeding material with complex resistance to diseases	Institute of Genetics and Cytology, the National Academy of Sciences of Belarus, Minsk, Belarus
6	Жернова Даяна Александровна	Анализ экспрессии генов льна для представительной выборки органов/тканей	Институт молекулярной биологии им. В.А. Энгельгардта Российской академии наук, Москва, Россия
7	Стрембовский Илья Викторович	Пайплайн для отбора минимального паспортизирующего набора однонуклеотидных полиморфизмов (SNP): опыт с соей культурной (<i>Glycine max</i> L.)	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва, Россия
8	Чуманова Евгения Владимировна	Маркер-контролируемое получение и характеристика гибридных форм пшеницы с окрашенным зерном	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
9	Молобекова Камилла Ардаковна	Картирование гена Ant26, контролирующего синтез проантоцианидинов в зерне ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.)	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия

15:30-15:50 Кофе-брейк / Coffee Break ☕

Секция 2. Генетический контроль формирования фенотипических признаков растений

Section 2. Genetic regulation of phenotypic traits formation in plants

15:50–17:35 Устные доклады / Oral Presentations

15:50– 16:15	Партоев Курбонали	О достижениях селекции и биотехнологии картофеля в Таджикистане	Институт ботаники, физиологии и генетики растений НАН Таджикистана, Душанбе, Таджикистан
16:15– 16:35	Пономарева Мира Леонидовна	Расширение генетического разнообразия источников устойчивости озимой ржи к снежной плесени	ТатНИИСХ ФИЦ КазНЦ РАН, Казань, Россия
16:35– 16:55	Хасанова Гульмира Жумагалиевна	Маркер-опосредованная селекция чечевицы в условиях Северного Казахстана	Казахский агротехнический исследовательский университет им. С. Сейфуллина, Астана, Казахстан
16:55– 17:15	Синявская Марина Георгиевна	Поиск ДНК-маркеров к признаку «содержание белка» у сои: сравнительное исследование группы сортов	Институт генетики и цитологии НАН Беларуси, Минск, Беларусь
17:15– 17:35	Пшеничникова Татьяна Алексеевна	Селекционный потенциал интрогрессии в хромосому 5D яровой мягкой пшеницы от вида <i>Aegilops tauschii</i> , связанной с размером корневой системы	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия

ХОЛЛ 3-го ЭТАЖА / HALL ON THE 3rd FLOOR

17:35–19:00 Постерная сессия Секций 1 и 2

Poster Session: Sections 1 & 2

Постеры Секции 1 / Poster Session: Section 1

1	Abdulkina Lilia Rinatovna / Абдулкина Ли́лия Ринатовна	<i>Agrobacterium tumefaciens</i> GV3101-mediated <i>Fagopyrum esculentum</i> ge-nome transformation and DFR, LFY genes editing
2	Emirsaliev Asan Osmanovich / Эмирсалиев Асан Османович	Read data improvement approaches for genome assembly of non-model plant species
3	Ganaeva Darya Rassovna / Ганаева Дарья Рассовна	Analysis of recent polyploid gene evolution on the example of <i>Capsella bursa-pastoris</i> (Shepherd's Purse)
4	Haoyu Chao	Advancing plant telomere-to-telomere genome research with Plant2T
5	Stepochkin Petr Ivanovich / Стёпочкин Пётр Иванович	Biotechnology of creating violet-colored forms of triticale and their characteristics

6	Wang Zixuan	An integrated gene regulatory network for citrus based on transfer learning
7	Yan J.T. / Янь Цзюньтин	Computational prediction of interactions of long non-coding RNAs and microRNAs in maize
8	Александров Евгений Георгиевич	Роль генотипов растений в процессе поглощения углекислого газа атмосферы
9	Александров Олег Сергеевич	Минисателлиты в геномах цитрусовых культур и возможность их использования для молекулярного маркирования
10	Алексеева Елена Валентиновна	К вопросу таксономии у близкородственных видов рода <i>Astragalus</i> секции <i>Cenanthrum</i> Koch
11	Амосова Александра Владимировна	Хромосомная организация кариотипов <i>Amaranthus cruentus</i> L. и <i>Amaranthus hypochondriacus</i> L.
12	Басхаева Татьяна Георгиевна	К вопросу генетического разнообразия <i>Rhododendron adamsii</i> Rehder на территории Республики Бурятия
13	Белова Маргарита Константиновна	Оценка полиморфизма заразики кумской (<i>Orobanche cumana</i> Wallr.) в разных локациях России
14	Гонсалес Франко Маида Хазмин	Цитогенетический анализ повторяющихся последовательностей <i>Aegilops umbellulata</i>
15	Дегтяр Ирина Викторовна	Видовая идентификация и содержание каротиноидов в микроводорослях рода <i>Dunaliella</i> из гиперсолёных озёр Крыма
16	Дук Мария Алексеевна	Полногеномный поиск вариантов, ассоциированных с урожайностью пшеницы
17	Ерёмин Дмитрий Иванович	Состав свободных аминокислот в тканях овса посевного в условиях стрессового воздействия почвенного засоления
18	Ермолаев Алексей Сергеевич	MDSearch: алгоритм выбора минимального информативного набора SNP для сравнительного анализа широкого спектра видов
19	Журавлев Игорь Юрьевич	Баркодирование ДНК растений на федеральной территории «Сириус»
20	Иванов Михаил Михайлович	Поиск редко встречающихся генов путем сравнительного анализа митохондриальных геномов зеленых растений, красных водорослей и фотосинтезирующих протистов
21	Истомина Екатерина Александровна	Исследование экспрессии генов тауматиноподобных белков <i>Filipendula ulmaria</i> в ответ на заражение <i>Bipolaris sorokiniana</i> с использованием глубокого секвенирования транскриптомов
22	Казанцев Михаил Юрьевич	Структурные и эволюционные особенности активных ретротранспозонов подсолнечника
23	Кальнюк Юлия Витальевна	Кариогеномика шалфея карабахского <i>Salvia karabachensis</i> Pobed.
24	Камаурали Елизавета Джемалевна	Создание транспозон-ассоциированной репортерной системы для изучения мобилома растений
25	Камнев Антон Михайлович	Разнообразие пластотипов представителей подрода <i>Idaeobatus</i> Focke рода <i>Rubus</i> L. на территории Русского Алтая
26	Капустянчик Светлана Юрьевна	Изучение качества клеточных стенок у ресурсных видов рода <i>Miscanthus</i> для получения более качественной лигноцеллюлозной биомассы

27	Криницына Анастасия Александровна	Определение таксономической принадлежности пыльцы и спор растений и грибов в аэриобиологических образцах методом метабаркодинга
28	Кудрявцева Наталья Андреевна	Метод приготовления препаратов пахитенных хромосом видов с крупным геномом для иммунолокализации мейотических белков
29	Лебедева Марина Валерьевна	Изучение вирусов картофеля (<i>Solanum tuberosum</i> L.) в России
30	Мирзоали Сафармади	Топинамбур (<i>Helianthus tuberosus</i> L.) и его изучение в условиях Таджикистана
31	Моцарь Елена Валериевна	Новый баднавирус крапивы: обнаружение, секвенирование и анализ генома
32	Муравенко Ольга Викторовна	Изучение репитома и хромосомной локализации сателлитных ДНК в геноме <i>Polemonium caeruleum</i> L.
33	Некрашевич Андрей Юрьевич	Анализ геномов органелл <i>Solanum hjertingii</i>
34	Николайчик Евгений Артурович	Геномика устойчивости картофеля к пектобактериозам
35	Романов Дмитрий Викторович	Создание кДНК библиотек растений рода <i>Citrus</i> для разработки цитогенетических маркеров
36	Свищёва Гульнара Рустамовна	Оценка селекционной ценности образцов мягкой яровой пшеницы по массе 1000 зерен и массе зерна с растения с использованием BLUP-модели
37	Серганова Мелания Алексеевна	Создание и характеристика инсерционной коллекции <i>Arabidopsis thaliana</i> для изучения мобилома и функциональной геномики
38	Сергеева Екатерина Михайловна	Аллельный полиморфизм генов углеводного обмена у отечественных сортов картофеля с различающимся содержанием крахмала и редуцирующих сахаров в клубнях
39	Сигова Елизавета Александровна	Геномное разнообразие фитопатогена льна <i>Colletotrichum lini</i>
40	Скобеева Виктория Александровна	Генетическая структура популяций Рябчика шахматного <i>Fritillaria meleagris</i> в Средней России
41	Соколов Владислав Сергеевич	Предсказание класса длинных некодирующих РНК по расположению в геноме методами глубокого машинного обучения
42	Соломатина Таисия Олеговна	Ауксин-зависимая регуляция гомеостаза АФК в roIA-трансгенных клеточных культурах <i>Rubia cordifolia</i> L.
43	Хакимов Мухаммадали Бахтиёр угли	Анализ полиморфизма генов восстановления фертильности Rf1 и Rf2 у <i>Beta vulgaris</i> L.
44	Шаманин Владимир Петрович	Источники эффективных генов хозяйственно ценных признаков для маркер-ориентированной селекции мягкой яровой, озимой и многолетней пшеницы в условиях Западной Сибири
45	Шмаков Николай Александрович	Реконструкция генома и транскриптома полиплоидного картофеля <i>Solanum tuberosum</i> L.
46	Юдина Софья Всеволодовна	Филогения микогетеротрофного рода <i>Epirixanthes</i> (Polygalaceae, Fabales): уточнение числа видов и морфологическая эволюция
47	Юркина Анна Игоревна	Анализ копийности повторяющихся последовательностей <i>Dasyurum breviaristatum</i> в геномах родственных видов методом количественной ПЦР

Постеры Секции 2 / Poster Session: Section 2

1	Alkubesi Malak / Алкубеси Малак	The using of speed breeding to obtain <i>Waxy</i> lines of bread wheat
2	Avdeev Sergey Mikhailovich / Авдеев Сергей Михайлович	Some features of using photomorphogenesis for soybeans (<i>Glycine max</i> L. Merr.) under accelerated vegetation conditions (speed breeding)
3	Barkovskaya Anastasia Mikhailovna / Барковская Анастасия Михайловна	Deciphering molecular mechanism underlying 10-stamen phenotype in <i>Capsella bursa-pastoris</i>
4	Berezhnaya Alina Alexandrovna / Бережная Алина Александровна	Impact of genome-edited PPD-1 promoter mutations on diurnal expression rhythms and heading time in <i>Triticum aestivum</i> L.
5	Chernook Anastasia Gennadievna / Черноок Анастасия Геннадьевна	Development of speed breeding protocols for cereal crops
6	Drozd Elizaveta Valerievna / Дрозд Елизавета Валерьевна	Using molecular genetic testing and field evaluation methods to develop new tomato breeding material with complex resistance to diseases
7	Kelbin Vasily Nikolaevich / Кельбин Василий Николаевич	MASRUSPLANTS v3.0: an updated web resource of DNA markers for marker-assisted selection of rust resistance genes in cereal crops
8	Perfil'ev Roman Nikolaevich / Перфильев Роман Николаевич	Possible example of locus heterogeneity in soybean
9	Shoeva Olesya Yurievna / Шоева Олеся Юрьевна	Determining molecular functions of the <i>Ant27</i> locus that controls proanthocyanidin synthesis in barley grain
10	Sidorov Leonid Aleksseevich / Сидоров Леонид Алексеевич	Exploration of genetic architecture of major agronomical traits in <i>Vicia sativa</i> collection via Genome-Wide Association Studies (GWAS)
11	Бадаева Екатерина Дмитриевна	Особенности формирования генома спонтанных фертильных пшенично-эгилопсных амфидиплоидов
12	Бобков Сергей Васильевич	Выделение источника высокого содержания хлорофилла у гороха <i>Pisum sativum</i> L.
13	Буланов Андрей Николаевич	Молекулярно-генетическое изучение генов биосинтеза антоцианов, контролирующих окраску зерновки у ржи
14	Григорьева Елена Игоревна	Автоматизация анализа геномных данных и предиктивное моделирование в селекции растений с использованием интегрированной биоинформатической системы компании ООО "ПЛАСТИЛИН"
15	Денисов Антон Александрович	Поиск генов, вовлеченных в регуляцию синтеза проантоцианидинов в зерне ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.), на основе анализа транскриптомных данных
16	Добряк Ирина Сергеевна	Влияние генов <i>Vlp1</i> и <i>Ppo2</i> на биохимические характеристики зерна ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
17	Душкин Владимир Александрович	Поиск и идентификация ДНК-маркеров, ассоциированных с признаком многолисточковости у люцерны изменчивой (<i>Medicago varia</i> Mart) с использованием SRAP-анализа

18	Крупинская Екатерина Сергеевна	Поиск источников генетической устойчивости к вирусу обыкновенной мозаики (Bean common mosaic virus, BCMV) среди селекционных образцов фасоли овощной (<i>Phaseolus vulgaris</i> L.)
19	Ефремова Татьяна Тимофеевна	Пирамидирование различных чужеродных генов в геноме мягкой пшеницы с помощью ДНК-маркеров
20	Жернова Даяна Александровна	Анализ экспрессии генов льна для представительной выборки органов/тканей
21	Иванова Екатерина Алексеевна	CAPS-маркер для дифференциации аллелей гена <i>Ryhc</i> у растений <i>Solanum chacoense</i> в коллекции ВИР
22	Климушина Марина Вячеславовна	Разработка набора SSR-маркеров для сортовой идентификации сои
23	Коробкова Варвара Александровна	Изучение коллекции твердой пшеницы НЦЗ им. П.П. Лукьяненко по аллельным вариантам генов, оказывающих влияние на хозяйственно ценные признаки
24	Крупин Павел Юрьевич	Формирование панели ДНК-маркеров для молекулярно-генетического анализа коллекции сои на аллельное состояние генов, отвечающих за синтез и накопление запасных белков сои (<i>Glycine max</i> L.)
25	Крупин Павел Юрьевич	Набор SSR-маркеров для использования в маркер-опосредованной селекции капусты белокочанной (<i>Brassica oleracea</i> var. <i>capitata</i>)
26	Кудинова Ольга Александровна	Вирулентность популяции <i>Puccinia triticina</i> , собранной на озимой мягкой пшенице и эгилопсе в условиях юга России
27	Кузбакова Маржан Маратовна	Маркер-опосредованная селекция чечевицы по признаку высоты прикрепления нижнего боба
28	Леонова Ирина Николаевна	Минеральный состава зерна мягкой и твердой пшеницы: атлас картированных QTLs
29	Метт Мария Дмитриевна	Генотипирование образцов яровой мягкой пшеницы различного происхождения по генам <i>Ppd</i> и <i>Vrn</i> для использования в селекции на скороспелость в Нечерноземной зоне РФ
30	Молобекова Камилла Ардаковна	Картирование гена <i>Ant2b</i> , контролирующего синтез проантоцианидинов в зерне ячменя (<i>Hordeum vulgare</i> L.)
31	Мохов Тимофей Дмитриевич	Гены азотного обмена в структуре урожая мягкой пшеницы в условиях Омской области
32	Наджодов Бобурджон Баходурович	Корреляция сроков развития яровой мягкой пшеницы в контролируемой среде и поле как инструмент отбора на раннеспелость
33	Налбандян Арпине Артаваздовна	Вариации гена <i>WTC1</i> , контролирующего время цветения сахарной свеклы
34	Орлова Елена Арнольдовна	Эффективные <i>Ut</i> гены в селекции яровой пшеницы на устойчивость к <i>Ustilago tritici</i> (pers.)
35	Орловская Ольга Александровна	Ассоциация генов, контролирующих синтез крахмала, с основными признаками продуктивности у линий мягкой пшеницы с чужеродным генетическим материалом
36	Рамазанова Светлана Алексеевна	Изучение генетического разнообразия рыжика посевного с использованием микросателлитных локусов ДНК

37	Партоев Курбонали	О гетерозисе и доминирование полигенных признаков у гибридов F ₁ картофеля в горной зоне Таджикистана
38	Пономарев Сергей Николаевич	Развитие фунгицид-устойчивости и ее обнаружение на примере <i>Microdochium nivale</i>
39	Самарина Мария Алексеевна	Разработка и валидация KASP-маркеров для селекции озимой пшеницы
40	Сатторов Бахтовар Норасович	Скороспелость и продуктивность – основные генетические признаки у пшеницы в условиях Таджикистана
41	Стасюк Анатолий Иванович	Анализ содержания желтых пигментов в зерне образцов коллекции твердой пшеницы
42	Стрембовский Илья Викторович	Пайплайн для отбора минимального паспортизирующего набора однонуклеотидных полиморфизмов (SNP): опыт с соей культурной (<i>Glycine max</i> L.)
43	Суворова Галина Николаевна	Генетический контроль черной окраски семенной кожуры чечевицы <i>Lens culinaris</i> Medik.
44	Трубачеева Наталия Викторовна	Особенности получения эуплазматических линий <i>T. aestivum</i> с замещением хромосом пшеницы на хромосомы дикого ячменя <i>H. marinum</i> ssp. <i>gussoneanum</i> (4x)
45	Чуманова Евгения Владимировна	Маркер-контролируемое получение и характеристика гибридных форм пшеницы с окрашенным зерном
46	Шимко ВПиктория Евгеньевна	Молекулярно-генетическая идентификация тетраплоидных форм озимой ржи (<i>Secale cereale</i> L.) по генам <i>Rfp</i> для использования в селекции

КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛ № 2, 2-й ЭТАЖ / CONFERENCE HALL No. 2, 2nd FLOOR

15:50–17:20 ПАРАЛЛЕЛЬНОЕ ЗАСЕДАНИЕ / PARALLEL SESSION

- 15:50–17:20 **Мастер-класс от /Workshop by** ООО «Фарма»
 Документирование хемилюминесценции и визуализация гелей – обзор современных решений. Проводят/ **Presenters:** Воротилина Виктория и Зайцев Никита



4 июля, пятница / July 4th, Friday

Время Time	Мероприятие Event	Детали Details
БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR		
09:30– 11:15	Утренняя сессия Morning Session	Работа Секции 2 / Section 2
11:15– 11:35	Кофе-брейк / Coffee Break ☕	
11:35– 13:15	Утренняя сессия Morning Session	Работа Секции 3 / Section 3 Выступление спонсора / Sponsor Presentation ООО «Диазем»
13:15– 14:45	Обед / Lunch ☕	
13:30–	Культурная программа Cultural Program	Экскурсии Excursions
14:45– 15:30	Вечерняя сессия Afternoon Session	Флеш–доклады молодых ученых по Секциям 3, 4 и 5 (доклады по 2 минуты) Flash Talks by Young Scientists (Sections 3, 4 & 5) (2-minute presentations)
15:30– 15:50	Кофе-брейк / Coffee Break ☕	
15:50– 17:10	Вечерняя сессия Afternoon Session	Работа Секции 3 Section 3
ХОЛЛ 3-го ЭТАЖА / HALL ON THE 3rd FLOOR		
17:10– 18:30	Постерная сессия (чай, кофе, вода) Poster Session (tea, coffee, water provided)	По Секциям 3, 4 и 5 Sections 3, 4 & 5

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR

09:30–13:15 УТРЕННЯЯ СЕССИЯ / MORNING SESSION

Секция 2. Генетический контроль формирования фенотипических признаков растений Section 2. Genetic regulation of phenotypic traits formation in plants

09:30–11:15 Устные доклады / Oral Presentations

09:30– 09:55	Дивашук Михаил Георгиевич	Интеграция геномики, спидбридинга и биоинформатики как инструмент решения селекционных задач	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва, Россия
-----------------	------------------------------	--	--

09:55– 10:15	Потокина Елена Кирилловна	Генетические детерминанты узорчатой древесины у карельской березы	Сколковский институт науки и технологий, Москва, Россия
10:15– 10:35	Kiseleva Antonina Andreevna / Киселёва Антонина Андреевна	Molecular mechanisms regu- lating protein and gluten ac- cumulation in grain of spring vs winter wheat	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
10:35– 10:55	Цветкова Наталья Владимировна	Молекулярно-генетический анализ мутации безантоциа- новости <i>vi3</i> у ржи	Санкт-Петербургский государственный университет, С.-Петербург, Россия
10:55– 11:15	Афанасенко Ольга Сильвестровна	Валидация молекулярных маркеров локусов устойчи- вости ячменя к возбудителю сетчатой пятнистости	Всероссийский научно- исследовательский институт защиты растений, С.-Петербург, Россия

11:15-11:35 Кофе-брейк / Coffee Break 

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2ND FLOOR

Секция 3. Молекулярно-генетический контроль физиологических процессов у растений

Section 3. Molecular and genetic regulation of plant physiological processes

11:35-13:15 Устные доклады / Oral Presentations

11:35– 12:00	Горшкова Татьяна Анатольевна	Лектины: мультиомиксный анализ вовлеченности в процессы роста и развития растений	Казанский институт биохимии и биофизики ФИЦ КазНЦ РАН, Казань, Россия
12:00– 12:20	Бабак Ольга Геннадьевна	Изучение взаимосвязи про- явления признаков биохи- мического состава плодов и урожайности у форм томата (<i>Solanum lycopersicum</i>) с раз- личным комплексом аллел- лей качества плодов	Институт генетики и цитологии Национальной академии наук Беларуси, Минск, Беларусь
12:20– 12:40	Sedlov Ilya Andreevich / Седлов Илья Андреевич	Regulatory plant 14-3-3 proteins markedly differ in stability and provide insights into the plant stress resistance and molecular evolution	A.N. Bach Institute of Biochemistry, Fed- eral Research Center of Biotechnology of the Russian Academy of Sci- ences, M.V. Lomonosov Moscow State Univer- sity, Moscow, Russia
12:40– 13:00	Mokshina Natalia Evgenievna / Мокшина Наталья Евгеньевна	BZIP transcription factors as negative regulators of secondary cell wall formation in plant fibers	Kazan Institute of Biochemistry and Biophysics, FRC Kazan Scientific Center of RAS, Kazan, Russia

13:00–
13:15 Руденко Татьяна
Сергеевна

Генотипирование перспек-
тивных родительских форм
и гибридов сахарной свё-
клы *Beta vulgaris* L. методом
микросателлитного анализа
с использованием генетиче-
ского анализатора A16

Н.с. лаборатории мар-
кер-ориентированной
селекции «ВНИИСС
им. А.Л. Мазлумова».
Доклад от ООО
«Диаэм», Москва



13:15–14:45 Обед / Lunch 

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR

14:45–18:30 ВЕЧЕРНЯЯ СЕССИЯ / AFTERNOON SESSION

**14:45–15:30 Устные флэш-доклады молодых ученых по Секциям 3, 4 и 5
(доклады по 2 минуты)
Flash Talks by Young Scientists: Sections 3, 4 & 5
(2-minute presentations)**

Устные флэш-доклады Секции 3 / Section 3 flash talks

1	Stanin Vladislav Andreevich / Станин Владислав Андреевич	Genomic determinants of host specificity in <i>Fusarium oxysporum</i> f.sp. <i>lini</i>	Peter the Great St. Petersburg Polytechnic University, St. Petersburg, Russia
2	Богданова Екатерина Михайловна	Влияние сахарозы на метаболизм проростков табака	Ботанический институт им. В.Л. Комарова РАН, Санкт- Петербург, Россия
3	Бовин Андрей Дмитриевич	Роль G-бета-подобного белка в контроле клубенькообразования и развития боковых корней у гороха посевного и люцерны усеченной	Всероссийский научно- исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Санкт- Петербург, Пушкин, Россия
4	Рыбаков Максим Александрович	Программное средство iSensor для визуализации ответа на фитогормоны в растительных тканях по данным scRNA-seq	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
5	Черенко Виктория Александровна	Гормональная регуляция клеточной динамики в корневом чехлике <i>Arabidopsis thaliana</i> L.	Институт цитологии и гене- тики СО РАН, Новосибирский государственный универси- тет, Новосибирск, Россия

6	Лаппо Анастасия Андреевна	Изучение коллекции озимой твердой пшеницы по генам, оказывающим прямое и опосредованное влияние на морозостойкость растений	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва, Россия
7	Камарова Камила Альбертовна	Ксилотрансфераза эндотрансглюкозилаза/гидролаза 19 <i>Nicotiana benthamiana</i> влияет на межклеточный транспорт макромолекул	Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва, Россия

Устные флэш-доклады Секции 4 / Section 4 flash talks

1	Simonova Veronika Yurievna / Симонова Вероника Юрьевна	Potential of using the RUBY reporter system in the transformation of <i>Pisum sativum</i> and optimization of the selection of transgenic calli	Научно-технический университет «Сириус», Сочи Санкт-Петербургский государственный университет, Санкт-Петербург, Россия
2	Luisa Maria Criollo Delgado	Guar genetic transformation: an example of how to overcome recalcitrance in legumes	Project Center for Agro Technologies, Skolkovo Institute of Science and Technology, Moscow, Russia
3	Канцурова Елизавета Степановна	Роль регуляторных элементов промотора гена транскрипционного фактора NIN и структурных особенностей его доменов в регуляции поздних стадий органогенеза клубеньков у бобовых	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной микробиологии, Санкт-Петербург, Россия
4	Polkhovskiy Alexander Vladimirovich / Полховский Александр Владимирович	<i>Arabidopsis thaliana</i> native and domesticated GAG protein interactions network	Moscow Institute of Physics and Technology, All-Russian Research Institute of Agricultural Biotechnology, Moscow, Russia

Устные флэш-доклады Секции 5 / Section 5 flash talks

1	Avzalov Dmitry Rafailovich / Авзалов Дмитрий Рафаилович	Textural characteristics of wheat grain images from the ITMI population	Institute of Cytology and Genetics, Siberian Branch of the Russian Academy of Sciences, Novosibirsk, Russia
2	Кожекин Михаил Викторович	Повышение точности обнаружения колосьев на полевых изображениях на основе глубокого машинного обучения без учителя	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия

15:30–15:50 Кофе-брейк / Coffee Break 

Секция 3. Молекулярно-генетический контроль физиологических процессов у растений
Section 3. Molecular and genetic regulation of plant physiological processes

15:50–17:10 Устные доклады / Oral Presentations

15:50– 16:10	Мирошниченко Дмитрий Николаевич	Генетическая модификация пути биосинтеза жасмонатов в пшенице	Институт фундаментальных проблем биологии ФИЦ ПНЦ, Филиал Института биоорганической химии им. академика М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова Российской академии наук, Пушкино, Московская область, Россия
16:10– 16:30	Щербань Андрей Борисович	Влияние биопестицида Новохизоль на иммунитет мягкой пшеницы: лабораторные и полевые оценки	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
16:30– 16:50	Кочиева Елена Зауровна	Профили экспрессии генов транскрипционных факторов подсемейства DREB2 в динамике солевого стресса и послестрессового восстановления растений томата	Институт Биоинженерии им. К.Г. Скрябина, ФИЦ «Биотехнологии» Российской академии наук, Москва, Россия
16:50– 17:10	Vodiasova Ekaterina Alexandrovna / Водясова Екатерина Александровна	Features of functioning of multigenic protein families under different stresses in some fruit crops	Nikita Botanical Garden – National Scientific Centre of RAS, Yalta, Russia

ХОЛЛ 3-го ЭТАЖА / HALL ON THE 3rd FLOOR

**17:10–18:30 Постерная сессия Секций 3, 4 и 5 /
Poster Session: Sections 3, 4 & 5**

Постеры Секции 3 / Poster Session: Section 3

1	Khamnoi Phacharaporn	Phyto-stem cell of medicinal aquatic plant “ <i>Lotus (Nelumbo nucifera)</i> ”, step forward for plant model in biotechnology and metabolic related gene study
2	Nerezenko Alexey Maksimovich / Нерезенко Алексей Максимович	Processing of raw RNA-seq data of <i>Chlamydomonas reinhardtii</i> cells using the newly developed PipeSeq program

3	Stanin Vladislav Andreevich / Станин Владислав Андреевич	Genomic determinants of host specificity in <i>Fusarium oxysporum</i> f.sp. <i>lini</i>
4	Syrchina Natalia Georgievna / Сырчина Наталья Георгиевна	Flax amaranthin-like protein with aerolysin domain: molecular modeling and docking
5	Zybinskaya Polina Alekseevna / Зыбинская Полина Алексеевна	Transcriptional activity of genes involved in the metabolism of abscisic acid in <i>Quercus robur</i> L. under drought conditions
6	Абрамова Анна Андреевна	Адаптация <i>Arabidopsis thaliana</i> к повышенным дозам УФ-В излучения: роль сигнальных путей и световых рецепторов
7	Адамовская Анна Валентиновна	Поиск генетических маркеров, ассоциированных со снижением устойчивости риса к <i>Rhizoctonia solani</i> при избытке азотных удобрений, на основе реконструкции и анализа генных сетей
8	Азаркина Регина Айдаровна	Анализ протеома и пептидома мягкой пшеницы <i>Triticum aestivum</i> в условиях засухи
9	Антакова Юлия Александровна	Поиск генов-мишеней TAL-эффекторов <i>Xanthomonas campestris</i> pv. <i>campestris</i> у крестоцветных культур
10	Бехтольд Нина Павловна	Генотипирование коллекционных образцов ярового ячменя на устойчивость к <i>Ustilago nuda</i> (Jens) Kell. et Sw. с использованием ДНК-маркеров
11	Бовин Андрей Дмитриевич	Роль G-бета-подобного белка в контроле клубенькообразования и развития боковых корней у гороха посевного и люцерны усеченной
12	Богданова Екатерина Михайловна	Влияние сахарозы на метаболизм проростков табака
13	Гончаренко Анастасия Олеговна	Характеристика аллельного состава S-локуса сортов груши Майкопской опытной станции – филиала ВИР
14	Давоян Эдвард Румикович	Аллельное разнообразие генов локусов Vrn-1 и Ppd-1 у интрогрессивных линий мягкой пшеницы
15	Дмитриева Анна Руслановна	Сделать спидбридинг еще быстрее: новые факторы, влияющие на сокращение вегетационного периода кукурузы (<i>Zea mays</i> L.)
16	Долгих Елена Анатольевна	Метаболическая инженерия растений как основа для регуляции специфичности и эффективности бобово-ризобияльного симбиоза
17	Ершова Наталия Михайловна	Исследование роли ксилоглюкан эндотрансглюкозилазы/ гидролазы 19 <i>Nicotiana benthamiana</i> (NbXTH19) в развитии инфекции вируса табачной мозаики
18	Зарецкая Марина Витальевна	Эпигенетические механизмы контроля экспрессии генов, участвующих в адаптации растений <i>Arabidopsis thaliana</i> (L.) Heynh. на северной периферии ареала
19	Зеленина Анастасия Сергеевна	Разработка новой методики оценки морозостойкости озимой твердой пшеницы
20	Казнина Наталья Мстиславовна	Участие гена SaCAX в устойчивости растений <i>Sinapis alba</i> L. к разделному и одновременному действию избытка цинка и низкой температуры

21	Камарова Камила Альбертовна	Ксилоглюкан эндотрансглюкозилаза/гидролаза 19 <i>Nicotiana benthamiana</i> влияет на межклеточный транспорт макромолекул
22	Колесникова Елена Олеговна	Молекулярно-генетический и цитологический контроль <i>Beta vulgaris</i> L.
23	Комарова Татьяна Валерьевна	Особенности активации экспрессии гена ViB3 <i>Nicotiana benthamiana</i>
24	Лаппо Анастасия Андреевна	Изучение коллекции озимой твердой пшеницы по генам, оказывающим прямое и опосредованное влияние на морозостойкость растений
25	Лысенко Евгений Анатольевич	Влияние кадмия и теплового шока на процессы в хлоропластах
26	Маслакова Ангелина Александровна	Роль вариантов сайта связывания транскрипционного фактора ETHYLENE-INSENSITIVE3 в модуляции транскрипционного ответа генов на этилен у <i>Arabidopsis thaliana</i> L.
27	Муратов Темур Рустемович	Разработка методологии спидбридинга подсолнечника
28	Нестеров Михаил Алексеевич	Поиск и разработка маркеров к генам устойчивости к прорастанию на корню мягкой пшеницы
29	Никонорова Евгения Рамильевна	Поиск бифункциональных 3-дегидрохинатадегидратазы/шикиматдегидрогеназ <i>Cornus sericea</i> L. на основе <i>de novo</i> секвенирования транскриптома.
30	Поротников Игорь Вадимович	<i>In silico</i> -анализ полиморфизма генов, контролирующих высоту растений, в пангеноме ячменя
31	Пузанский Роман Константинович	Анализ влияния нарушений работы авто- и гетеротрофных механизмов ассимиляции углерода и энергии на метаболизм <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>
32	Разуваева Алена Викторовна	Влияние новохизоля на экспрессию генов, обеспечивающих устойчивость мягкой пшеницы к стеблевой ржавчине
33	Рыбаков Максим Александрович	Программное средство iSensor для визуализации ответа на фитогормоны в растительных тканях по данным scRNA-seq
34	Рябов Юрий Александрович	Кооперативное действие транскрипционных факторов в регуляции первичного транскрипционного ответа генов на цитокинины у <i>Arabidopsis thaliana</i> L.
35	Саввина Наталья Алексеевна	Влияние теплового шока на редактирование мРНК ndhВ
36	Савельева Юлия Владимировна	Солевой стресс сортов овса Тюменской селекции
37	Серёгина Кристина Константиновна	Регуляция экспрессии генов капусты <i>Brassica oleracea</i> TAL-эфффекторами при заражении бактерией <i>Xanthomonas campestris</i> pv. <i>campestris</i>
38	Сидоренко Александра Дмитриевна	Ауксин и цитокинин регулируют тканеспецифическую экспрессию гена MAKR6 у <i>Arabidopsis thaliana</i> L.
39	Симагин Александр Дмитриевич	Исследование коллекции масличного льна на наличие генов низкой линоленовости

40	Федяева Анна Валерьевна	Перезимовка растений озимой пшеницы в зависимости от осеннего развития при различных сроках сева в условиях Западной Сибири
41	Филюшин Михаил Александрович	Гены халконсинтаз вовлечены в ответные реакции растений чеснока (<i>Allium sativum</i>) на абиотические стрессы
42	Черенко Виктория Александровна	Гормональная регуляция клеточной динамики в корневом чехлике <i>Arabidopsis thaliana</i> L.
43	Шлихт Анатолий Григорьевич	Создание высокоструктурированных баз данных и знаний для задач моделирования, анализа, интерпретации на основе омиксных данных растений
44	Юрков Андрей Павлович	Развитие эффективного арбускулярного микоризного симбиоза: особенности подбора растения и гриба

Постеры Секции 4 / Poster Session: Section 4

1	Ajaz Shafi	<i>In vitro</i> CRISPR-Cas9 cleavage assay for targeted editing of <i>TGMS5</i> gene in wheat
2	Berezhneva Zoya Alexandrovna / Бережнева Зоя Александровна	Creation of transgenic tobacco plants with two target genes by hybridization
3	Brynychikova Anna Viktorovna / Брынчикова Анна Викторовна	Gene coexpression for stimulating regeneration in <i>Medicago truncatula</i>
4	Ershova Antonina Nikolaevna / Ершова Антонина Николаевна	Lipoxygenase system under phytohormones and hypoxia in dicotyledonous plants, varietal and interspecific differences
5	Gordeeva Elena Ivanovna / Гордеева Елена Ивановна	Selection of wheat-emmer lines with naked colored grains using molecular markers
6	Kirsanova Natalya Alexandrovna / Кирсанова Наталья Александровна	The selection of target genes for detection of plant impurities in feeds
7	Luisa Maria Criollo Delgado /	Guar genetic transformation: an example of how to overcome recalcitrance in legumes
8	Mogilevskaya Irina Vladimirovna / Могилевская Ирина Владимировна	<i>In vitro</i> studying the photoperiod effect on morphophysiological and bio-chemical parameters of <i>Cotinus coggygia</i> Scop. and cherry rootstock VSL-2 microshoots
9	Polkhovskiy Alexander Vladimirovich / Полховский Александр Владимирович	<i>Arabidopsis thaliana</i> native and domesticated GAG protein interactions network
10	Potsenkovskaia Elina Andreevna / Поценковская Элина Андреевна	The search of somatic embryogenesis regulators in <i>Medicago truncatula</i> among the MtNF-Y family
11	Rekoslavskaya Natalya Igorevna / Рекославская Наталья Игоревна	The induction of mice lung tumors by HeLa cells and regression by human papillomavirus type HPV16 E2 protein
12	Simonova Veronika Yurievna / Симонова Вероника Юрьевна	Potential of using the RUBY reporter system in the transformation of <i>Pisum sativum</i> and optimization of the selection of transgenic calli
13	Zholobova Olga Olegovna / Жолобова Ольга Олеговна	Use of <i>in vitro</i> culture to obtain new source material and selection of stress-resistant interspecific <i>Populus</i> hybrids

14	Артемюк Анастасия Максимовна	Изучение функций гена <i>MtWOX2</i> у <i>Medicago truncatula</i>
15	Басов Владимир Игоревич	Получение и изучение линий удвоенных гаплоидов озимой мягкой пшеницы с чужеродным генетическим материалом <i>Aegilops umbellulata</i> и <i>Aegilops speltoides</i>
16	Батукаев Абдулмалик Абдулхамидович	Оптимизация приемов хемотерапии земляники садовой на этапе введения <i>in vitro</i>
17	Батукаев Абдулмалик Абдулхамидович	Повышение регенерации растений винограда при введении <i>in vitro</i>
18	Бизякина Дарья Олеговна	Чистые линии озимой твердой пшеницы: спидбридинг или удвоенные гаплоиды
19	Битюкова Ольга Вячеславовна	Увеличение эффективности трансгенных растений-продуцентов путем использования двойного терминатора в экспрессионной кассете
20	Болотина Анна Александровна	Создание экспрессионного вирусного вектора с использованием синтетической ДНК последовательности
21	Пак Мария Эдуардовна	Цитогенетическая стабильность длительно пролиферирующих клеточных линий <i>Larix sibirica</i> Ledeb.
22	Дмитриева Марина Валерьевна	Вирус-опосредованное геномное редактирование <i>Nicotiana benthamiana</i> для создания растений-продуцентов
23	Дрыкин Александр Сергеевич	Создание генетических конструкций для экспрессии мутантных форм белка eIF4E и проверка их функциональности в дрожжах и растениях
24	Дымо Алина Михайловна	Регуляция активных форм кислорода и уровня паттерн-распознающих рецепторов под влиянием сигнальных молекул ризобий как основа развития бобово-ризобиального симбиоза
25	Ефремова Елена Павловна	Изучение влияния нокаута гена <i>MtWOX9-1</i> на способность растений <i>Medicago truncatula</i> к регенерации
26	Ивахненко Анна Сергеевна	Вирусная доставка белков для редактирования растений <i>Brassica napus</i> L.
27	Ильина Ирина Юрьевна	Наночастицы фосфата кальция как перспективные носители для доставки нуклеиновых кислот в растительные клетки
28	Канцурова Елизавета Степановна	Роль регуляторных элементов промотора гена транскрипционного фактора NIN и структурных особенностей его доменов в регуляции поздних стадий органогенеза клубеньков у бобовых
29	Константинов Захар Сергеевич	Идентификация генов-репрессоров соматического эмбриогенеза у <i>Medicago truncatula</i>
30	Корзина Наталья Васильевна	Биотехнологические приемы поддержания коллекции <i>Chrysanthemum</i> × <i>morifolium</i> Ramat. <i>in vitro</i>

31	Кулеш Полина Андреевна	Изучение влияния митоген активируемой протеинкиназы 6 (МАРК6) на эффективность развития симбиоза у гороха посевного для повышения его продуктивности
32	Любимова Анна Валерьевна	Эффективность использования метода электрофореза проламинов в первичном семеноводстве зерновых культур
33	Ляпина Ирина Сергеевна	Микробиомный анализ восстанавливающихся после высыхания растений и ризосферных почв
34	Нерсесян Степан Михайлович	Биологическая активность штаммов PGPR по фиксации атмосферного азота и сольюбилизации неорганических и органических фосфатов
35	Павлова Дарья Борисовна	Роль различных доменов <i>MtWOX9-1</i> в стимуляции соматического эмбриогенеза у <i>Medicago truncatula</i>
36	Палязова Янгилжон Закировна	Значение растения эйхорния в очистке сточных вод Туркменистана
37	Перфильева Алла Иннокентьевна	Новые подходы для профилактики бактериальных заболеваний сельскохозяйственных растений с использованием инновационных наноструктурируемых биосовместимых веществ
38	Петраш Надежда Владимировна	Создание и оценка линий удвоенных гаплоидов мягкой пшеницы с генами устойчивости к грибным болезням
39	Ражина Оксана Леонидовна	Оценка взаимодействия факторов инициации трансляции eIF4E с белком VPg Y-вирус картофеля <i>in planta</i>
40	Ражина Полина Леонидовна	Методы агробактериальной трансформации различных сортов <i>Camelina sativa</i> L.
41	Самарская Виктория Олеговна	Определение новых рекомбинантных штаммов PVY для дизайна двуцепочечной РНК
42	Санамьян Марина Феликсовна	Идентификация чужеродной хромосомы 2 <i>Gossypium barbadense</i> L. в беккроссных потомствах хлопчатника с помощью двойного скрининга
43	Селифонов Игорь Владимирович	Сайленсинг генов <i>AKR2</i> в растениях <i>Nicotiana benthamiana</i>
44	Смирнов Кирилл Вадимович	Изучение транскриптомных профилей контрастных линий <i>Medicago truncatula</i> в ходе соматического эмбриогенеза
45	Смирнова Наталья Витальевна	Поиск и изучение роли микроРНК в подавлении иммунного ответа у бобовых растений при развитии эффективного внутриклеточного симбиоза
46	Спеченкова Надежда Андреевна	Ингибирование поли(АДФ)-рибозилирования у патогенов растений как способ защиты картофеля от фитофтороза
47	Таутекенова Азия Кайсаровна	Эффективность генов <i>Pc</i> к расам корончатой ржавчины (<i>Puccinia coronata</i> Corda) овса в условиях Северного Зауралья

48	Тихонова Ольга Андреевна	Влияние трансформации растений табака (<i>Nicotiana tabacum</i> L.) геном <i>AtCPK1</i> с мутацией в соединительном домене на старение, вызванное тепловым стрессом
49	Федорова Ольга Анатольевна	Особенности клонального микроразмножения гибридов тополя, перспективных для выращивания в Воронежской области
50	Фиалко Александра Витальевна	Роль гена <i>HOS1 Arabidopsis thaliana</i> в адаптации к холодовому стрессу
51	Фомичева Мария Григорьевна	Эмбрионды моркови (<i>Daucus carota</i> L.) как удобный объект для тестирования действия различных веществ на примере разработки протокола удвоения генома для производства удвоенных гаплоидов
52	Франкевич Татьяна Андреевна	Изменение агрегативности клеток в суспензионной культуре <i>Arabidopsis thaliana</i> при нокауте генов семейства <i>GAUT</i>
53	Хопта Анастасия Андреевна	Светозависимая регуляция биосинтеза эфиров шиконина в 30-летней клеточной линии воробейника <i>Lithospermum erythrorhizon</i>
54	Царькова Елена Александровна	Возможность создания продуктивного каучуконоса методами генной инженерии, растущего в средней полосе России

Постеры Секции 5 / Poster Session: Section 5

1	Avzalov Dmitry Rafailovich / Авзалов Дмитрий Рафаилович	Textural characteristics of wheat grain images from the ITMI population
2	Komyshev Evgeny Gennadievich / Комышев Евгений Геннадьевич	Evaluation of color and texture characteristics of cereal grains by SeedCounter application
3	Shtratnikova Victoria Yurievna / Штратникова Виктория Юрьевна	Telegram-bot for the furanocoumarin database in Apiaceae
4	Zhang Xinyi	Identifying trichomes on digital images of soy leaves
5	Кожекин Михаил Викторович	Повышение точности обнаружения колосьев на полевых изображениях на основе глубокого машинного обучения без учителя
6	Кручинина Юлия Владимировна	Генетический анализ гибридных популяций тетраплоидных видов пшеницы
7	Тис Маргарита Витальевна	Верификация результатов поиска генетических детерминант узорчатости древесины у карельской березы на независимой выборке
8	Черепанов Антон Викторович	Фенотипирование как метод комплексной оценки функционального назначения овса (<i>Avena sativa</i> L.) различного эколого-географического происхождения в условиях юга Тюменской области
9	Шаршавикова Вероника Владимировна	Разработка KASP маркеров для генов, вовлеченных в формирование адаптивной реакции у ели европейской

5 июля, суббота / July 5th, Saturday

Время Time	Мероприятие Event	Детали Details	Параллельные заседания Parallel sessions
		БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ GREAT HALL, 2nd FLOOR	КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛ № 2, 2-й ЭТАЖ CONFERENCE HALL No. 2, 2nd FLOOR
09:30– 11:00	Утренняя сессия Morning Session	Пленарные доклады Plenary Talks 1. Ming Chen 2. Wongchai Chatchawal 3. М.Г. Самсонова	
11:00– 11:30	Кофе-брейк / Coffee Break ☕		
11:30– 13:15	Утренняя сессия Параллельные заседания Morning Session Parallel sessions	Работа Секции 4 Section 4 Выступления спонсоров Sponsor Presentations 1. ООО «Пластелин» 2. ООО «НПФ Синтол»	Работа Секции 5 Section 5 Выступления спонсоров Sponsor Presentations 1. ООО «Феномика» 2. ООО «Интерген»
13:15– 14:30	Обед / Lunch 🍴		
14:30– 16:00	Вечерняя сессия Параллельные заседания Afternoon Session Parallel Sessions	Работа Секции 4 Section 4	Работа Секции 5 Section 5
16:00– 16:20	Кофе-брейк / Coffee Break ☕		
16:20– 17:30	Вечерняя сессия Afternoon Session	Работа Секции 4 Section 4	
17:30– 18:00	Заккрытие конференции PlantGen2025 Closing of PlantGen2025 Conference		

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR

09:30–13:15 УТРЕННЯЯ СЕССИЯ / MORNING SESSION

09:30–11:00 Пленарное заседание / Plenary Session

09:30– 10:00	Ming Chen , Professor, Department of Bioinformatics, College of Life Sciences, Zhejiang University, Hangzhou, China Advances and Challenges in Plant Integrative Bioinformatics: From Multi-Omics Integration to Systems Biology
10:00– 10:30	Wongchai Chatchawal , Demonstration School University of Phayao, Phayao, Thailand Bioinformatics and Biotechnology approaches for plant physiology study: Step forward for talented students in SCIUS-UP program, Phayao-Thailand
10:30– 11:00	Самсонова Мария Георгиевна / Samsonova Maria Georgievna , д.б.н., профессор, Политехнический университет Петра Великого, Санкт-Петербург, Россия Фузариозное увядание льна: мультиомиксное выявление вирулентности и эпигенетически регулируемой резистентности/Fusarium wilt of flax: multi-omics elucidation of host-specific virulence and epigenetically regulated resistance

11:00–11:30 Кофе-брейк / Coffee Break ☕

Секция № 4. Генетическая инженерия и биотехнология растений
Section № 4. Genetic engineering and plant biotechnology

11:30–13:15 Устные доклады / Oral Presentations

11:30– 11:50	Tvorogova Varvara Evgenievna / Творогова Варвара Евгеньевна	Regeneration and transformation of plants from the Fabaceae family	Saint Petersburg State University, Saint Petersburg, Russia
11:50– 12:10	Митрофанова Ирина Вячеславовна	Биотехнологические и геномные исследования плодовых и ягодных культур	Главный ботанический сад им. Н.В. Цицина РАН, Москва, Россия
12:10– 12:30	Khvatkov Pavel Aleksievich / Хватков Павел Алексеевич	Genomic technologies for generating abiotic stress tolerance grapevine (<i>Vitis vinifera</i> L.) plants	Nikita Botanical Garden, Yalta, Russia
12:30– 12:45	Брускин Сергей Александрович	ООО «Пластилин»: практические результаты генетического редактирования сельскохозяйственных растений	Спонсор  PLASTILIN ООО «Пластилин», Москва, Россия
12:45– 13:00	Шварцев Алексей Анатольевич	Современные отечественные разработки в области молекулярно- генетической диагностики растений	Спонсор  СИНТОЛ <small>НАУЧНО-ПРОИЗВОДСТВЕННАЯ КОМПАНИЯ</small> ООО «НПФ Синтол», Россия
13:00– 13:15	Теплюк Алина Викторовна	Современные технологии в генетике и биотехнологии растений	Спонсор  SkyGen ООО «СкайДжин», Москва, Россия

КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛ № 2, 2-й ЭТАЖ / CONFERENCE HALL No. 2, 2nd FLOOR

11:30–13:15 ПАРАЛЛЕЛЬНОЕ ЗАСЕДАНИЕ / PARALLEL SESSION

**Секция 5. Высокопроизводительное фенотипирование растений:
методы и применение**
Section 5. High throughput phenotyping of plants: methods and applications

11:30–13:15 Устные доклады / Oral Presentations

11:30– 11:50	Константинов Дмитрий Константинович	Цифровизация селекционного процесса: платформа для ведения геномной селекции растений компании ООО «Пластилин»	ООО «Пластилин», Москва, Россия
-----------------	---	---	------------------------------------

11:50–12:10	Bursakov Sergey Alekseevich / Бурсаков Сергей Алексеевич	The use of digital phenotyping technologies to study the effects of beneficial microorganisms in plant breeding, genetics and biotechnology	All-Russia Research Institute of Agricultural Biotechnology, Moscow, Russia
12:10–12:30	Pavlov Nikita Alexandrovich / Павлов Никита Александрович	Envirotyping of spruce (<i>Picea abies</i>) geographical provenances in Russia	Project Center for AgroTechnologies, Skolkovo Institute of Science and Technology, Moscow, Russia
12:30–12:45	Патрин Максим Михайлович	Цифровое фенотипирование-2025. Мультимодальный подход и внедрение искусственного интеллекта	Спонсор ООО «Феномика», Москва, Россия 
12:45–13:00	Баринов Андрей Александрович	ASI Разнообразие платформ и конфигураций	Спонсор ООО «ИНТЕРГЕН», Москва, Россия 

13:15–14:30 Обед / Lunch 

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR

14:30–17:30 ВЕЧЕРНЯЯ СЕССИЯ / AFTERNOON SESSION

Секция 4. Генетическая инженерия и биотехнология растений Section 4. Genetic engineering and plant biotechnology

14:30–16:00 Устные доклады / Oral Presentations

14:30–14:50	Таранов Василий Васильевич	Опыт редактирования растений семейства Solanaceae: трудности и решения	Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва, Россия
14:50–15:10	Lebedeva Maria Alexandrovna / Лебедева Мария Александровна	Systemic control of legume-rhizobia symbiosis: functional studies of key regulators using overexpression and CRISPR/Cas9-mediated gene editing approaches	Saint Petersburg State University, Saint Petersburg, Russia
15:10–15:30	Эльконин Лев Александрович	Улучшение качества зерна сорго посредством геномного редактирования и РНК-сайленсинга генов кафиринов	Федеральный аграрный научный центр Юго-Востока, Саратов, Россия

15:30– 15:45	Тимонова Екатерина Михайловна	Экспрессия химерного комплекса генов регуляторов роста пшеницы <i>GRF4-GIF1</i> значительно повышает эффективность трансформации и редактирования генов у культивируемых сортов ячменя	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
15:45– 16:00	Omelchenko Denis Olegovich / Омельченко Денис Олегович	A hairy root path for genome editing in common buckwheat (<i>Fagopyrum esculentum</i>)	Vavilov Institute of General Genetics of Russian Academy of Sciences, Moscow, Russia

16:00–16:20 Кофе-брейк / Coffee Break ☕

Секция 4. Генетическая инженерия и биотехнология растений Section 4. Genetic engineering and plant biotechnology

16:20–17:30 Устные доклады / Oral Presentations

16:20– 16:35	Власова Анастасия Валерьевна	Новый подход к управлению мобиломом: вирус-опосредованная активация мобильных элементов в модельных и сельскохозяйственных растениях	Московский физико-технический институт (МФТИ), Всероссийский научно-исследовательский институт сельскохозяйственной биотехнологии, Москва, Россия
16:35– 16:50	Цыденешиева Жаргалма Лудуповна	Наноплатформа для доставки микроРНК на основе экзосом <i>Nicotiana tabacum</i>	Дальневосточный федеральный университет, ФНЦ Биоразнообразия ДВО РАН, Владивосток, Россия
16:50– 07:05	Shein Mikhail Yurievich / Шейн Михаил Юрьевич	Increasing the mobility of Cas9 transcripts, delivered by viral vectors	Institute of biochemistry and genetics, UFRC RAS, Ufa, Russia
17:05– 17:20	Тимина Ольга Олеговна	Особенности укоренения микропобегов различных генотипов дуба черешчатого в культуре <i>in vitro</i> после длительного культивирования на среде для мультипликации	Приднестровский государственный университет им. Шевченко, Тирасполь, Приднестровье, Молдова
17:20– 17:30	Егорова Анастасия Александровна	Растения картофеля сорта Симфония с нокаутом по гену вакуолярной инвертазы: применения в селекции и в исследованиях механизмов регуляции углеводного метаболизма	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия

14:30–15:50 ПАРАЛЛЕЛЬНОЕ ЗАСЕДАНИЕ / PARALLEL SESSION

Секция 5. Высокопроизводительное фенотипирование растений: методы и применение

Section 5. High throughput phenotyping of plants: methods and applications

14:30–15:50 Устные доклады / Oral Presentations

14:30– 14:50	Генаев Михаил Александрович	Методы анализа изображений для мониторинга грибных заболеваний на основе CNN и LLM сетей в полевых условиях	Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук, Новосибирск, Россия
14:50– 15:10	Аниськина Татьяна Сергеевна	Фенотипирование зерновок пшеницы для установления связи с комплексом количественных признаков	Главный ботанический сад им. Н.В. Цицина, Москва, Россия
15:10– 15:30	Базюк Денис Александрович	Биологический эффект химического мутагена фосфемиды на зерновых культурах (<i>Triticum aestivum</i> L., <i>Hordeum vulgare</i> L.) в Северном Зауралье	Тюменский государственный университет, Тюмень, Россия
15:30– 15:50	Zahid Akram	Assessment of genetic divergence of <i>Brassica juncea</i> breeding lines for yield traits under rainfed conditions	Pir Mehr Ali Shah-Arid Agriculture University Rawalpindi, Islamabad, Pakistan

БОЛЬШОЙ ЗАЛ, 2-й ЭТАЖ / GREAT HALL, 2nd FLOOR

17:30–18:00

**ЗАКРЫТИЕ КОНФЕРЕНЦИИ PlantGen2025
CLOSING OF THE PlantGen2025 CONFERENCE**

Перечень заочных участников с публикацией в сборнике тезисов
List of remote participants with published in the conference abstract collection

	ФИО / Full name	Название тезиса / Abstract title
1	Быкова Анастасия Владимировна	Транскриптомный профайлинг клубней картофеля в динамике длительного холодового хранения
2	Давоян Румик Оганесович	Влияние новой транслокации T3DS.3DL-3SL от <i>Aegilops speltoides</i> на морфо-биологические признаки сорта пшеницы мягкой озимой Гром
3	Константинов Андрей Вячеславович	Оценка редокс-статуса генетически варьируемых <i>in vitro</i> культур гибридной березы по данным активности пероксидазы и каталазы
4	Крупина Александра Юрьевна	Влияние увеличенной дозы фосфорного питания на онтогенез сахарной свёклы при выращивании в условиях закрытого грунта методом speed breeding
5	Кучарова Елена Валериевна	Введение в культуру <i>in vitro</i> эндемика Центральной Якутии, редкого растения <i>Thermopsis jacutica</i> (Czefr.) Schreter
6	Макаров Сергей Сергеевич	Особенности укоренения <i>in vitro</i> сортов княженики (<i>Rubus arcticus</i> L.) финской селекции
7	Мухордова Мария Евгеньевна	Генетический профиль сортов пшеницы мягкой яровой, созданных в ФГБНУ «Омский АНЦ»
8	Санникова Анастасия Валерьевна	Влияние ионов тяжелых металлов на длину теломера у <i>Marchantia polymorpha</i>
9	Kharchenko Victoria Evgenievna / Харченко Виктория Евгеньевна	Identification of non-standard effects in phenotypic analysis



ФЕНОМИКА

ФЕНОМЕНАЛЬНЫЕ ТЕХНОЛОГИИ
ВИЗУАЛИЗАЦИИ

www.phenomics.ru
info@phenomics.ru
vk.com/phenomica

РАСКРОЙТЕ ПОТЕНЦИАЛ ВАШИХ РАСТЕНИЙ

- ✓ Технологии высокопроизводительного фенотипирования растений
- ✓ Гипер- и мультиспектральная съемка
- ✓ Решения для лабораторий и полевых исследований
- ✓ Проектирование и строительство теплиц и фитотронов
- ✓ Технологии для маркерной селекции



PHENOSPEx



Цифровое фенотипирование растений



Селекция и выведение новых сортов (выделение агрономически значимых признаков, оценка реакции растений на стресс, сопоставление генетических и фенотипических данных)



Прикладные исследования (изучение физиологии, морфологии, фотосинтеза, моделирование роста и развития растений, исследования генотип-фенотип-среда)



Мониторинг состояния растений в реальном времени (оценка стрессовых состояний, выявление болезней, определение здоровья посевов)



Контроль качества в тепличных и полевых условиях (отслеживание развития растений, работа в связке с системами по уходу за растениями)



3D-моделирование (создание цифровых копий образцов, построение прогностических моделей урожайности и роста, использование алгоритмов ИИ для предсказательных моделей стрессов, продуктивности, отклонений)



Современные решения компании PHENOSPEX позволяют проводить комплексный анализ морфологических и спектральных характеристик растений в различных условиях окружающей среды.



Инновационное оборудование GREENPHENO предоставляет широкие возможности для изучения растений, а также корневых систем

Спектральная визуализация и съемка



Оценка физиологического состояния растений (содержание хлорофилла, водный, температурный, солевой стресс, раннее выявление болезней и вредителей, оценка фотосинтетической активности)



Селекция растений (количественная оценка признаков, сравнение сортов, маркерная селекция - сопоставление генотипа и фенотипа растения)



Мониторинг сельскохозяйственных посевов (картирование по биомассе, содержанию влаги, определение неоднородностей на участке, оценка урожайности)



Контроль качества (оценка зрелости и степени спелости плодов, выявление дефектов и повреждений, контроль качества и однородности семян)



Современные исследования (моделирование метаболических процессов, разработка методов диагностики и обработки данных с использованием ИИ-алгоритмов)



Гипер- и мультиспектральные камеры от компании SPECTRICON обеспечивают высокую скорость съемки с пространственным разрешением высокой четкости и гибко настраиваются под конкретную задачу



Теплицы и фитотроны

Комплексный подход позволяет создать полностью автоматизированные теплицы и фитотроны с высокой точностью контроля параметров.



Системы климат-контроля с автоматическим регулированием температуры, влажности и вентиляции.



Оптимальные параметры освещения и управление световыми циклами.



Гидропонные и аэропонные системы, капельный полив, NFT-системы, системы подачи питательных растворов с контролем pH и ЕС.



Системы мониторинга и управления - контроль параметров окружающей среды, программное обеспечение для управления и анализа в реальном времени.



Стерилизация и защита от патогенов, системы обеззараживания.



Инженерные услуги полного цикла по проектированию и строительству фитотронов и теплиц

Камеры роста растений

Камеры роста обеспечивают идеальные условия для растений, ускоряя их развитие и позволяя проводить прецизионные эксперименты.



Точный контроль среды, поддержание заданной температуры, влажности, освещенности и уровня CO2. Программирование суточных циклов.



LED-лампы с настраиваемым спектром, регулирование интенсивности и фотопериода.



Мониторинг и управление - встроенные датчики, возможность удаленного контроля.



Многоуровневая организация внутреннего пространства.



Компактные модели и камеры для массового выращивания растений.



Компания HiPoint предлагает широкий ассортимент камер роста растений высокого класса



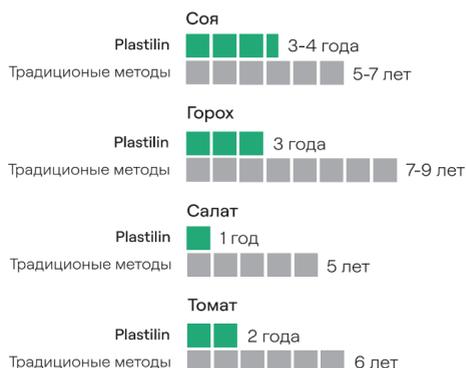
PLASTILIN

ПРОЕКТИРОВАНИЕ ЖИВЫХ СИСТЕМ

ОПТИМИЗАЦИЯ СРОКОВ РАЗРАБОТКИ СОРТОВ С PLASTILIN

В условиях возрастающей конкуренции и необходимости оперативного реагирования на рыночные запросы, Plastilin предлагает революционное решение для оптимизации процесса селекции. Наша биотехнологическая платформа, основанная на интеграции алгоритмов биоинформатики, машинного обучения и геномных технологий, обеспечивает значительное сокращение времени разработки новых сортов – до 2-3 раз по сравнению с традиционными методами.

Сравнительный анализ сроков разработки:



Ключевые преимущества работы с PLASTILIN:

- **Ускоренный вывод на рынок** инновационных сортов, обеспечивающий конкурентное преимущество.
- **Повышение рентабельности НИОКР** через снижение затрат на исследования и разработки за счет оптимизации селекционного процесса.
- **Стратегическая гибкость** и адаптация к динамично меняющимся требованиям рынка и потребительским предпочтениям.



PLASTILIN

ПРОЕКТИРОВАНИЕ ЖИВЫХ СИСТЕМ

ИНТЕГРИРОВАННАЯ ПЛАТФОРМА ГЕНОМНОЙ СЕЛЕКЦИИ PLASTILIN

Plastilin предлагает комплексное решение для трансформации процесса селекции из традиционного подхода в управляемый процесс, основанный на цифровом анализе и предиктивном моделировании. Наша интегрированная платформа объединяет ключевые технологии для обеспечения высокой эффективности и точности селекции:

- Управление селекционными процессами
- Анализ генетических данных
- Искусственный интеллект
- Геномная селекция
- Расчет результатов селекции

Функциональные возможности платформы PLASTILIN:

- **Целенаправленное конструирование:** Разработка сортов с заданными фенотипическими характеристиками, отвечающих конкретным требованиям.
- **Повышение устойчивости:** Интеграция генов устойчивости к патогенам (вирусам, бактериям, грибам) и абиотическим стрессорам (засуха, засоленность, температурные колебания).
- **Оптимизация качественных характеристик:** Улучшение биохимического состава, включая содержание белка, жирных кислот и ароматических соединений.

Опыт применения внутри компании

Мы проверили все этапы работы платформы в собственных кейсах.

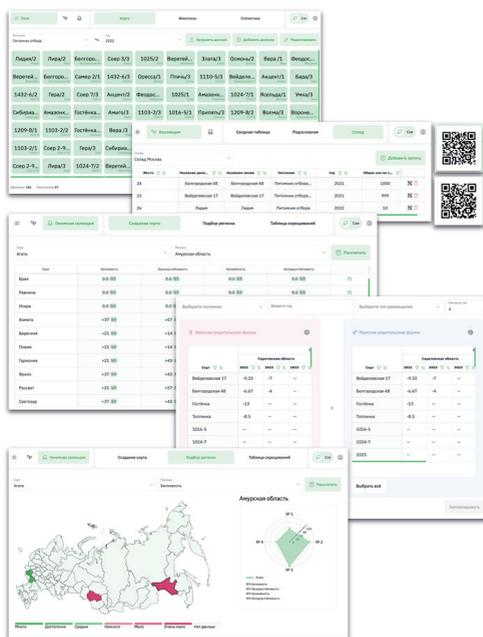
Горох: за 3 года выведены 4 сорта и переданы на ГСИ. Сорта обладают характеристиками:

- стабильно высоким содержанием белка (31%+)
- высокой урожайностью
- содержанием амилозы
- устойчивостью к полеганию

Работы, которые ведутся на платформе клиентами

Разработки в области геномной и маркерной селекции интегрированные и применяются в бизнес-процессах внешними клиентами платформы. В рамках платформы сейчас работают 10 компаний и 7 научных институтов и вузов.

Решение для всех платформ:
web версия, Google Play, AppStore (скоро).



PLASTILIN

ПРОЕКТИРОВАНИЕ ЖИВЫХ СИСТЕМ

PLASTILIN: СТРАТЕГИЧЕСКИЙ ПАРТНЕР ДЛЯ ИННОВАЦИЙ В АГРОБИЗНЕСЕ

Plastilin – это биотехнологическая компания, ориентированная на разработку и внедрение передовых решений для растениеводства. Мы предлагаем комплексный подход к созданию новых сортов и оптимизации производственных процессов, обеспечивая нашим партнерам устойчивое развитие и конкурентное преимущество.

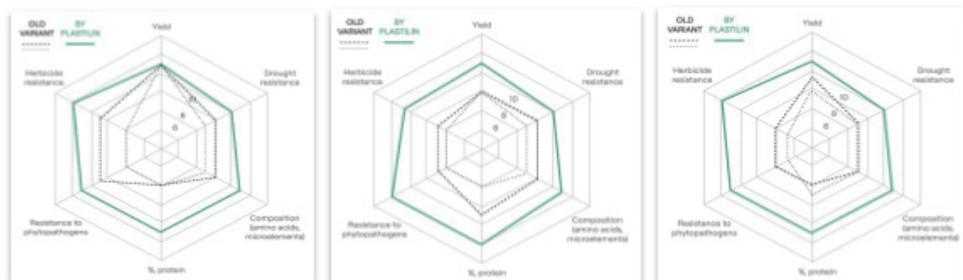
Варианты взаимодействия в семеноводстве

Используя разработанную нами технологию создания оптимальной комбинации необходимых генов заданного типа в пределах одного растения, мы значительно ускоряем селекционный процесс. Наша технология позволяет улучшать сорта и гибридные компоненты одновременно по нескольким признакам.

Наша технологическая платформа имеет потенциал для создания новых сортов различных культур, в том числе гибридов, с заданными характеристиками, пригодных **для выращивания в любом регионе.**

Создание сорта «под ключ»

- Ускоренное создание сорта с использованием современных технологий по техническим условиям
- Первичное семеноводство



Мы можем использовать ИИ для разработки проектов новых сортов и определения новых регионов для выращивания сельскохозяйственных культур

Конкурентные преимущества PLASTILIN:

- **Передовые технологии:** Использование современных методов биоинформатики, машинного обучения и геномного редактирования.
- **Операционная эффективность:** Оптимизация сроков и затрат на разработку сортов.
- **Стратегическое партнерство:** Ориентация на долгосрочное сотрудничество и совместное создание ценности.

Контактная информация:

www.plastilin.team, Москва, Россия



Аналитическое оборудование для изучения биологических объектов и сред

www.azimp-micro.ru

Оборудование для исследования процессов газообмена



Особенности:

- Измерение газообмена почв, растений, водорослей
- Анализ метана (CH_4), паров воды (H_2O)
- Анализ углекислого газа (CO_2)
- Контроль температуры и освещения

Оборудование для исследования процессов фотосинтеза



Особенности:

- Изучение фотосинтеза, дыхания и транспирации листьев
- Автоматизированные расчеты
- Широкий выбор измеряемых параметров
- Работа как в лаборатории, так и в поле

Системы гиперспектральной визуализации

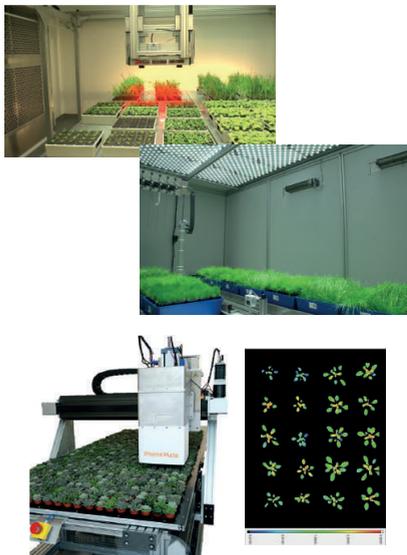


Особенности:

- Спектральный диапазон: 400 - 1000 нм
- Мгновенное получение данных измерений
- Высокое разрешение изображений
- Компактный размер



Системы автоматизированного фенотипирования



Особенности:

- Работа с несколькими сотнями растений
- Культивирование и фенотипирование растений
- Полностью контролируемые условия
- Автоматические измерения
- Предназначены для растений различных размеров
- Работа как в лаборатории, так и в поле
- Опционально: встроенный конвейер

Системы контроля и регуляции условий окружающей среды



Особенности:

- Помещения для выращивания растений в контролируемых условиях
- Камеры для выращивания растений в контролируемой среде
- Регулировка освещения
- Большие фотобиореакторы для выращивания микроорганизмов в контролируемых условиях
- Мониторинг всех параметров сред с помощью широкого набора датчиков контроля условий





О компании

Основным направлением деятельности компании **АЗИМУТ ФОТНИК** является поставка оптоэлектронных компонентов ведущих мировых производителей на территории России, разработка новых проектов, а также техническая и информационная поддержка клиентов.

Целью своей работы мы видим содействие развитию и поддержку проектов российских производственных компаний и научно-исследовательских институтов, внедряя современные технологии и инновационные решения в области оптоэлектроники в серийное производство.

Услуги

- Предоставление образцов;
- Подбор оптимальных аналогов;
- Консультации по применению;
- Обеспечение технической документацией;
- Согласование параметров изделий с производителем;
- Подготовка документации для процедур конкурсных закупок;
- Проведение семинаров с участием представителей компаний производителей.

Поставщики



Контакты

АЗИМУТ ФОТНИК

info@azimp.ru

www.azimp.ru

www.azimp-micro.ru

Москва

ул. Шаболовка, д. 10, корп. 1

(м. Шаболовская)

+7 (495) 792-39-88

Санкт-Петербург

ул. Рентгена, д. 7А

(м. Петроградская)

+7 (812) 407-10-47



ИНТЕРГЕН

Более 20 лет специализируемся на оптической микроскопии

Уникальный многолетний опыт работы официальным дистрибьютором Olympus, а также обширные знания микроскопов и технологий Zeiss, Leica и Nikon позволяют нам успешно предлагать решения для Ваших индивидуальных задач.

Являемся официальным дистрибьютором ASI

Applied Spectral Imaging (ASI) — ведущий разработчик инновационных систем для цитогенетических исследований и патоморфологии. Высокотехнологичное оборудование бренда мирового уровня для лабораторий, клиник и научных центров.

Предлагаем эксклюзивное комплексное решение

- комплекс микроскопа WideScopiX и программного обеспечения ASI (Applied Spectral Imaging).

✓ **Полная совместимость**

Наши микроскопы WideScopiX идеально интегрируются с ручными системами ASI

✓ **Гарантия качества**

Оба бренда соответствуют мировым стандартам

✓ **Оптимальное соотношение**

Специальные условия на комплектную поставку

Хотите узнать больше?
Будем рады обсудить Ваши задачи!



WIDESCOPIX

Оптическая микроскопия

За каждым нашим микроскопом стоит комплексное решение ваших индивидуальных задач. Годы работы с лидерами рынка научили нас главному: настоящее качество начинается там, где технологии точно соответствуют потребностям пользователя. Базируясь на этих принципах родился наш собственный бренд оптических микроскопов **WideScopiX**.

Хотите поближе познакомиться с WideScopiX? Мы подготовили для Вас видео-визитки каждой модели. Переходите по QR коду ниже, открывайте вкладку «видео». Приятного просмотра!

Прямой



Инвертированный



Стереоскопический



ИНТЕРГЕН

Гарантия надежности

Работаем исключительно с проверенными компонентами

Персонализированные сборки

Адаптируем системы под ваши уникальные потребности

Профессиональное сопровождение

Эксперты WideScopiX всегда на связи

WideScopiX SC53



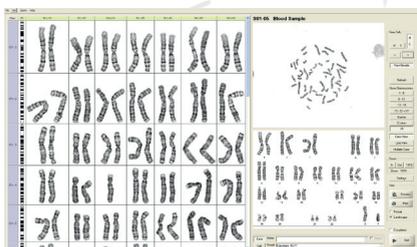
надежный партнер в цитогенетических исследованиях

Компания ASI — мировой лидер в разработке систем для:

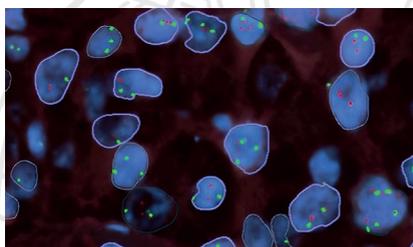
- ✓ Молекулярной цитогенетики
- ✓ Онкологических исследований
- ✓ Пренатальной диагностики

Специальные решения для генетических лабораторий

ASI hiBAND - программное обеспечение для кариотипирования хромосом человека, животных и растений, с пакетом автоматического поиска метафаз.



ASI hiFISH - программное обеспечение для автоматического FISH анализа HER2, HER2/neu, ALK, CEP XY и др.



Совместимость с микроскопами:

- Olympus, Zeiss
(ручные и моторизованные системы)
- WideScopiX, Leica
(только ручные системы)

Нужна консультация?
Обращайтесь в Интерген!





Направления деятельности

Биохимическое оборудование

Учебное оборудование

Оборудование для аналитической химии:

- Хроматография и масс-спектрометрия
- РФА-спектроскопия
- ЯМР-спектроскопия
- ИК- и КР-спектроскопия
- ААС, ИСП, ИСП-МС
- Дифрактометрия
- Микроскопия
- ТОС-анализаторы
- Каталитические установки и химические реакторы
- Установки микроволнового синтеза
- Титриметрический анализ
- Оборудование для микрофлюидики
- Общелабораторное оборудование и посуда
- Лабораторная мебель
- Проектирование лабораторий под ключ

КОНТАКТЫ:



Москва, Мичуринский
проспект, 45

Новосибирск,
Академгородок,
улица Николаева 11/5



+7 (383) 330-82-95
+7 (495) 513-13-54



sales@pharma-se.ru
www.pharma-se.ru



Магнитные частицы



SynMag

для очистки продуктов ПЦР и разделения ДНК по размерам

SeqMag

для очистки реакционных смесей после реакции Сэнгера

Классическое секвенирование ДНК

Всё необходимое для секвенирования методом Сэнгера



GenSeq

набор для секвенирования по методу Сэнгера

Нанофор 05

капиллярный генетический анализатор открытого типа



Оценка концентрации ДНК



Флуориметр **Qubit**

для измерения концентрации ДНК, РНК и белков

Реагенты **СинКвант**

серия наборов для измерения концентрации дцДНК, РНК, белков

Массовое параллельное секвенирование



Нанофор СПС

генетический анализатор для массового параллельного секвенирования

SyntEra

набор для подготовки геномных библиотек для массового параллельного секвенирования

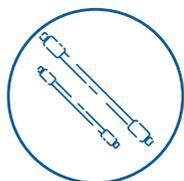


ООО «НПФ Синтол»
127434, Москва, Тимирязевская 42
syntol@syntol.ru

СИНТОЛ
НАУЧНО-ПРОИЗВОДСТВЕННАЯ КОМПАНИЯ



КОМПЛЕКСНОЕ ОСНАЩЕНИЕ ЛАБОРАТОРИЙ



Хроматографические колонки



Стандартные образцы



Растворители для ВЭЖХ / ОСЧ



Аналитические приборы



Лабораторное оборудование



Оборудование Life Sciences



Микробиология



Химические реактивы



Биохимические реактивы



Более 20 тысяч позиций в наличии на складе в Москве!

Новосибирск, 630090, просп. Академика Лаврентьева,
6/1, оф. 100,
тел.: +7 (383) 335 6102, e-mail: sibir@chimmed.ru
chimmed.ru

S100 - секвенатор NGS от Cygnus Biosciences. Новое качество секвенирования с точностью 10x



Двойной режим секвенирования

- Сверхбыстрый BitSeq и сверхточный ECC
- Адаптация под задачи

Быстрое получение результатов

- 6,5 часов в режиме BitSeq SE75
- 12 часов в режиме ECC SE75
- Незаменим для приложений, требующих срочности: метагеномное секвенирование mNGS, ПГТ-А, НИПТ

Непревзойденная точность

- Q40 > 80%
- Идеально для детекции низкочастотных мутаций

Гибкость использования

- Совместимость с основными библиотеками (Illumina, Ion Torrent)
- Режимы прочтения SE75/SE150/PE150

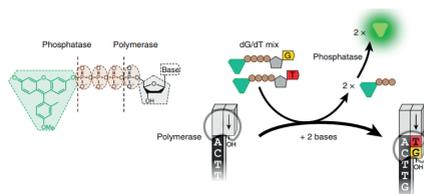
Основы технологии изложены в публикациях с общим импакт фактором > 139



Инновации в технологии секвенирования

Оригинальная флуорогенная химия

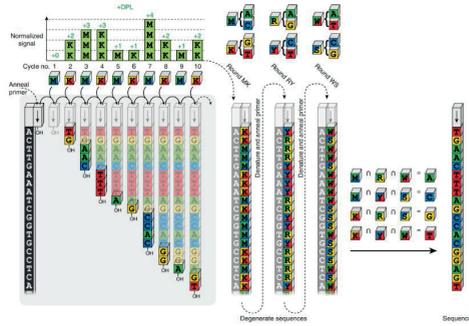
- Запатентованная линейка флуорофоров с высоким квантовым выходом, коэффициентом абсорбции, высоким соотношением между «включенным» и «выключенным» состоянием, лучшей фотостабильностью.
- Включение в растущую цепь нативных нуклеотидов. Такой подход не оставляет молекулярных шрамов, тем самым уменьшая возможность ошибок секвенирования и увеличивая длину ридов.



Секвенирование со включением 2 типов нуклеотидов за цикл

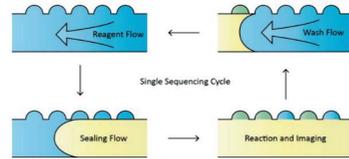
Режим BitSeq – генерация вырожденной последовательности с частичной информацией о составе цепи. Идеально для приложений, затрагивающих количественный состав генома. Результат за 1/3 времени стандартного секвенирования.

Режим ECC – секвенирование с повышенной в 10 раз точностью. Последовательное 3-х кратное ортогональное прочтение цепи с генерацией точной последовательности и применение уникального алгоритма коррекции ошибок (ECC) – идеально для детекции низкочастотных вариантов.



Уникальная проточная ячейка

Запатентованная повторная герметизация органической/водной фазой для точного контроля реакции

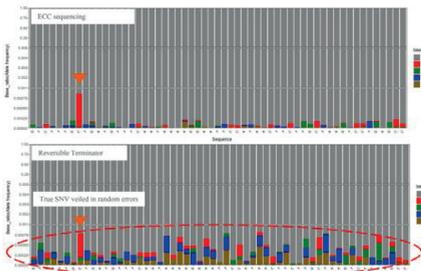


Параметры секвенирования

Совместимость с библиотеками Illumina, Ion Torrent
 Два режима секвенирования: BitSeq и ECC

Чип, риды	Длина прочтения	Объем данных	Время анализа	Качество (ECC)
25 M	SE75	1,8 G	ECC 12ч BitSeq 6,5ч	Q30 > 90% Q40 > 80%
	SE150	3,7 G	ECC 18ч BitSeq 9ч	Q30 > 90% Q40 > 80%
	PE150	7,5G	ECC 30ч	Q30 > 90% Q40 > 80%
80 M	SE75	7,5G	ECC 15ч BitSeq 8ч	Q30 > 90% Q40 > 80%
	SE150	15G	ECC 24ч BitSeq 10ч	Q30 > 90% Q40 > 80%
	PE150	30G	ECC 40ч	Q30 > 90% Q40 > 80%

Сравнение частоты фоновых ошибок при детекции редких мутаций



ECC секвенирование детектирует редкие SNV с аллельной частотой 0.1% без использования UMI

ECC секвенирование имеет высокое отношение сигнал/шум по сравнению с обычным секвенированием

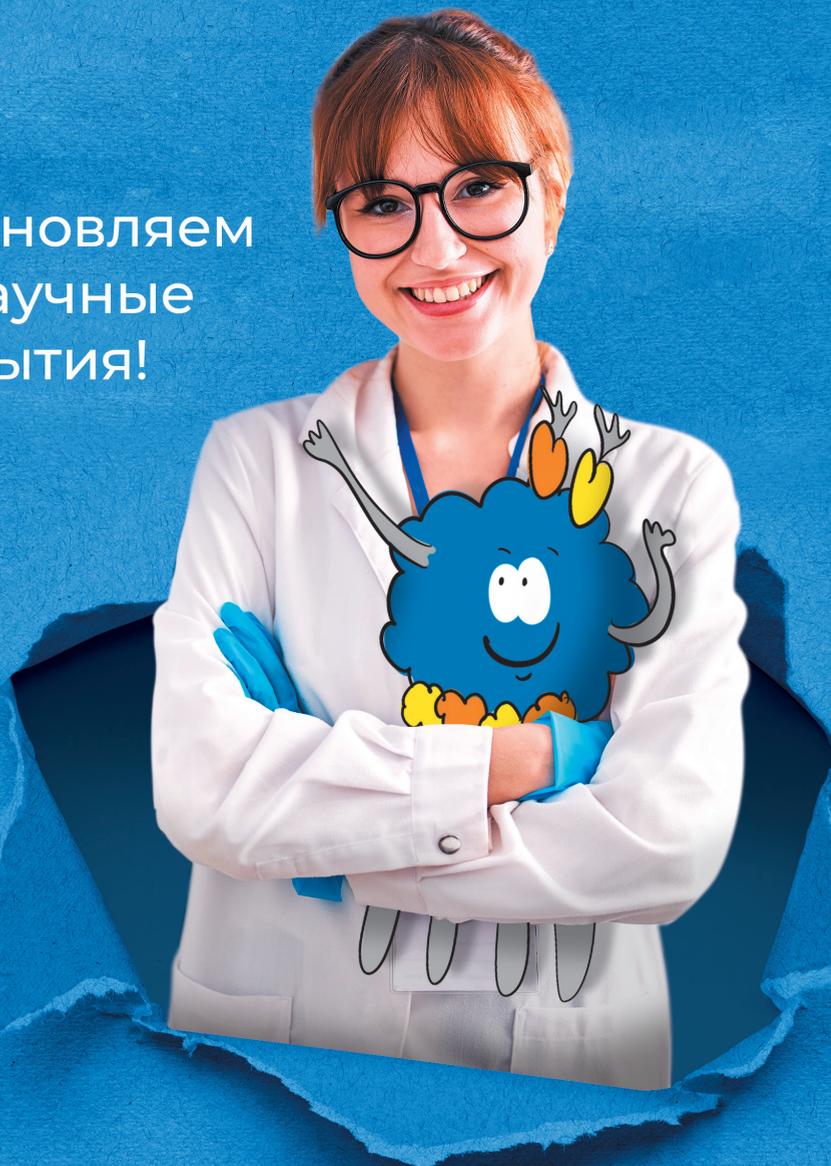
ДИАЭМ, Москва ■ ул. Магаданская, д. 7, к. 3 ■ тел./факс: 8 (800) 234-0508 ■ sales@dia-m.ru

С.-Петербург spb@dia-m.ru Новосибирск nsk@dia-m.ru Воронеж vrn@dia-m.ru Йошкар-Ола nba@dia-m.ru Красноярск krsk@dia-m.ru

Казань kazan@dia-m.ru Ростов-на-Дону md@dia-m.ru Екатеринбург ekb@dia-m.ru Кемерово kemerovo@dia-m.ru Нижний Новгород nnovgorod@dia-m.ru

www.dia-m.ru

Вдохновляем
на научные
открытия!



SkyGen

8(800)333-12-26 sales@skygen.com



SkyGen Kits NA

Широкий выбор наборов реагентов для выделения и очистки ДНК и РНК из клеток, тканей, дрожжей, нестандартных и редких образцов



Артикул: EDC336



Артикул: ERC441

Набор "SKYamp Soil DNA Kit"

Набор предназначен для выделения ДНК из различных образцов почвы на микроцентрифужных колонках. В SkyAmp Soil используется буферная система, с помощью которой можно полностью удалить гуминовую кислоту из образца, а также гомогенизирующие частицы диаметром 1 мм, гарантирующие целостность ДНК.

Набор предназначен для работы с красной почвой, пылью, шламом и другими специфическими образцами почвы.

- Технология выделения: на спин-колонках
- Тип НК: ДНК
- Формат: Набор
- Тип биоматериала: Почва



Набор "SKYprep RNA Pure Plant Plus Kit"

Набор предназначен для выделения тотальной РНК из растительных тканей на микроцентрифужных колонках.

В состав набора входит уникальный буфер СЛ, оптимально лизирующий растительные ткани. Общее время выделения составляет 1 час.

Набор протестирован на мякоти бананов, арбузов, яблок, груш, клубнях картофеля, а также листьях хлопчатника, розы, люцерны, риса и белой сосновой хвое.

- Технология выделения: на спин-колонках
- Тип НК: РНК
- Формат: Набор
- Тип биоматериала: Растения



SkyGen

kits.skygen.com • 8 (800) 333-12-26 • для заказа: sales@skygen.com



Исследование генетического материала
на оборудовании Illumina и PacBio согласно мировым
стандартам качества

Фото с сайта: <https://www.illumina.com/systems/sequencing-platforms/novaseq-x-plus.html>



Решения в области науки от официального дистрибьютора CeGaT GmbH

О нас:

ООО "Альгавитапро" является эксклюзивным партнером CeGaT GmbH (cegat.com) в России.

О CeGaT:

CeGaT основан в 2009 году в Германии, Тюбинген. Компания специализируется в области NGS для проведения генетической диагностики, а также кастомизированных решений для науки и фарминдустрии. CeGaT предлагает широкий спектр подходов, в том числе для исследований в области геномики, транскриптомики, анализа микробиома и многих других направлений.

Профессиональная команда CeGaT поможет Вам найти оптимальное решение и достигнуть поставленных научных целей.

Что Вы получаете:

- Проведение работ по высшим мировым стандартам качества
- Секвенирование на платформах Illumina NovaSeq X Plus/6000, PacBio Sequel IIe
- Возможность выбирать любые параметры и режимы секвенирования
- Высокая скорость выполнения работ
- Персональное ведение каждого проекта

Контактная информация:

Тел.: +7 (995) 502 43 54

Email: sales-ngseq@ngseq.ru

kirill.shur@cegat.de

ngseq.ru

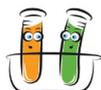
Наши решения в области NGS Illumina/PacBio

- Полногеномное секвенирование
- Полноэкзомное секвенирование
- Транскриптомный анализ
- Shotgun метагеномный анализ
- 16S (V1-V9) профилирование
- Секвенирование готовых библиотек
- Секвенирование малых РНК
- Секвенирование РНК одиночных клеток
- Секвенирование опухолевой ДНК/РНК
- Жидкостная биопсия
- Иммуногенетика
- Кастомизированные панели

Также мы предлагаем сервис по выделению нуклеиновых кислот и биоинформатический анализ данных секвенирования.

Общество с ограниченной ответственностью
"АЛЬГАВИТАПРО"
ИНН 7608035377
ОГРН 1187627012957





Динамично развивающаяся компания Биохимический Базар (ООО «БХБ») занимается комплексным оснащением лабораторий различного профиля.

Нашим приоритетным направлением являются лаборатории Life Sciences.

В товарную линейку входят

❖ биохимические и химические реактивы:

- ❖ для культур клеток
- ❖ биохимии
- ❖ молекулярной биологии
- ❖ молекулярной генетики
- ❖ микробиологии
- ❖ сыворотки животных
- ❖ антитела
- ❖ рекомбинантные белки

❖ оборудование для лабораторий R&D

❖ расходные материалы

Мы можем предоставить демоверсии приборов в вашу лабораторию!

Новосибирск, 630090, ул. Демакова, д. 23, офис 3.
телефоны: +8 800 700 5910, +7 903 903 4560
e-mail: bxb2021@mail.ru, mail@biohim.store

D-PLANTS

R-PLANTS

НАБОРЫ ДЛЯ ВЫДЕЛЕНИЯ ДНК И РНК
ИЗ РАСТИТЕЛЬНЫХ ОБРАЗЦОВ НА КОЛОНКАХ

Выделенная ДНК подходит для:

- › проведения ПЦР
- › генотипирования
- › ник-трансляции
- › ДНК-секвенирования

Выделенная РНК подходит для:

- › проведения ОТ-ПЦР
- › РНК-секвенирования
- › анализа экспрессии генов



MagPlants

НАБОР ДЛЯ ВЫДЕЛЕНИЯ ДНК
ИЗ РАСТИТЕЛЬНОГО СЫРЬЯ
НА МАГНИТНЫХ ЧАСТИЦАХ

- › подходит для автоматического выделения ДНК.
- › есть готовый автоматический протокол для Autopure-96 (Allsheng).

ПРЕИМУЩЕСТВА ИСПОЛЬЗОВАНИЯ НАБОРОВ:

Быстрый и воспроизводимый результат

1

Простой, тщательно описанный протокол

2

Широкий спектр применения для множества исследовательских задач

3

Не требует использования фенола и хлороформа

4

D-SOILS

НАБОР ДЛЯ ВЫДЕЛЕНИЯ
ДНК ИЗ ПОЧВЫ

- › подходит выделения ДНК из твердых и жидких образцов почв (в том числе ила с высоким содержанием жидкости).

Набор содержит уникальный буфер для суспендирования, который обеспечивает высокую сохранность ДНК при гомогенизации.



Закажите
наборы
на сайте

Оформите заказ с доставкой:

e-mail: sales@biolabmix.ru

Тел: 8 800 600 88 76

www.biolabmix.ru


Biolabmix®



Организатор конференции – Федеральный исследовательский центр Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук

Директор: академик РАН *Алексей Владимирович Кочетов*
Научный руководитель: академик РАН *Николай Александрович Колчанов*
Ученый секретарь: канд. биол. наук *Галина Владимировна Орлова*
Тел.: +7 (383) 363 4985, email: gorlova@bionet.nsc.ru

Институт создан в 1957 году в числе первых институтов Сибирского отделения АН СССР. В настоящее время ИЦиГ СО РАН – мультидисциплинарный, многопрофильный биологический институт, который по праву считается одним из ведущих научных учреждений биологического профиля в России. В мае 2017 года закончился второй этап реорганизации Федерального исследовательского центра Институт цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук.

ФИЦ ИЦиГ СО РАН включает три филиала: Сибирский научно-исследовательский институт растениеводства и селекции (СибНИИРС), Научно-исследовательский институт клинической и экспериментальной лимфологии (НИИКЭЛ), Научно-исследовательский институт терапии и профилактической медицины (НИИТПМ).

В состав Федерального исследовательского центра входит также отделение «Курчатовский геномный центр ИЦиГ СО РАН».

Стратегическая цель – получение новых знаний в области генетики и клеточной биологии, разработка и применение генетических технологий для решения приоритетных задач развития научно-технологического комплекса Российской Федерации.

Приоритетные задачи – получение новых фундаментальных знаний в области общей молекулярной генетики и клеточной биологии; разработка и внедрение генетических технологий для агропромышленного комплекса, медицины и биотехнологии.

Позиционирование ИЦиГ СО РАН осуществляется по следующим направлениям: достижение результатов, обеспечивающих технологический суверенитет и конкурентные позиции Российской Федерации в стратегически важных для государства областях, включая генетические технологии для медицины, фармакологии, биотехнологической промышленности и сельского хозяйства.

Кадровый состав. На 1 января 2025 года структура ФИЦ ИЦиГ СО РАН состояла из 159 научных подразделений. В институте работают 1394 человека, в том числе 480 научных сотрудника, из них 44% сотрудников в возрасте до 39 лет, 6 академиков РАН, 5 членов-корреспондентов РАН, 93 доктора наук, 288 кандидатов наук. В 2025 году в ФИЦ ИЦиГ СО РАН обучается 80 аспирантов и 39 ординаторов.

Публикации. Институт активно публикуется в российских и зарубежных журналах и является в российской биологии одним из признанных лидеров. В 2024 году в рецензируемых журналах опубликована 671 статья сотрудников Института. В 2020–2024 годах на платформах Web of Science или Scopus было размещено 2616 статей сотрудников ИЦиГ СО РАН. Институт является лидером среди научно-исследовательских институтов и вузов РФ по количеству статей в Web of Science по направлению Genetics/Hereditity.

Научные журналы. ИЦиГ СО РАН – учредитель и издатель четырех научных рецензируемых журналов: «Вавиловский журнал генетики и селекции» (Белый список K1, WoS Q3, Scopus Q2), «Сибирский научный медицинский журнал» (Белый список K3, Scopus Q4), «Письма в Вавиловский журнал генетики и селекции» (Перечень ВАК), «Атеросклероз» (Перечень ВАК).

Имущественный комплекс. Земельный участок площадью 35 тыс. га, закрепленный на праве постоянного пользования; 85 тыс. м² рабочих площадей, расположенных на территории Советского района г. Новосибирска, Барышевского сельского совета Новосибирской области, в Искитимском и Черепановском районах и в пос. Краснообск Новосибирской области.

Адрес: 630090, Россия, Новосибирск, проспект Академика Лаврентьева, 10
тел./факс: +7 (383) 363 4980/+7 (383) 333 1278
www.icgbio.ru, email: icg-adm@bionet.nsc.ru



Conference Organizer – Institute of Cytology and Genetics, Siberian Branch of the Russian Academy of Sciences, Novosibirsk, Russia

Director: Full Member of the RAS *Alexey V. Kochetov*
Academic Advisor: Professor, Full Member of the RAS *Nikolay A. Kolchanov*
Academic Secretary: Candidate of Science (Biology) *Galina V. Orlova*
Phone: +7 (383) 363 4985 ext. 1336, email: gorlova@bionet.nsc.ru

The Institute was founded in 1957, among the first institutions of the Siberian Branch of the Russian Academy of Sciences. It is situated in the Novosibirsk Akademgorodok. Presently, ICG SB RAS is an interdisciplinary biological center, which ranks among the leading biological institutions in Russia. The second step of the restructuring of the Federal Research Center Institute of Cytology and Genetics was completed in May 2017. Presently, ICG includes three affiliated branches:

- Siberian Research Institute of Plant Production and Breeding (SibRIPPB). The institute is located in Krasnoobsk Village and the Novosibirsk rural area. It conducts academic, prospective, and applied studies including the collection, examination, preservation, and utilization of plant genetic resources for obtaining new biological knowledge; expansion and improvement of crop gene pools;
- Research Institute of Clinical and Experimental Lymphology (RICEL);
- Research Institute of Internal and Preventive Medicine (RIIPM).

RICEL and RIIPM are situated in the Sovetskiy and Oktyabr'skiy districts of Novosibirsk. They conduct academic, prospective, and applied studies in molecular medicine and human genetics. They also provide medical care.

The branch "Kurchatov Genomic Center ICG SB RAS" became one of the divisions of the Federal Research Center.

Tasks of ICG SB RAS: Solution of top-priority problems in the development of the Russian science and technology sector in plant genetics and breeding, animal genetics and breeding, human genetics, biotechnology, and fundamental medicine by applying methods of molecular genetics, cell biology, and computational biology.

Strategic goal: Integrated studies in plant genetics and breeding, animal genetics and breeding, human genetics, fundamental medicine, and biotechnology by applying methods of molecular genetics, cell biology, and computational biology from the generation of academic knowledge to the solution of top priority problems set by Russian agricultural, biotechnological, biomedical, and pharmaceutical industries.

Staff: As on January 1, 2025, ICG SB RAS included 159 scientific units. The institute employs 1394 members, of them 480 researchers, 2 RAS Advisor, 6 Full Members of the RAS, 5 Corresponding Members of the RAS, 93 Doctors of Science, and 288 Candidates of Science. In 2025 at the ICG SB RAS trains 80 postgraduates and 39 ordinators.

Publications: The Institute ranks among acknowledged leaders in Russian biology. Numerous works of its researchers are published in Russian and foreign academic journals. In 2024 the overall number of publications in peer-reviewed periodicals is 671. In 2020–2024 the WoS or Scopus published 2616 articles from ICG researchers.

Scientific journals: Institute of Cytology and Genetics is the founder of the following scientific journals: *Vavilov Journal of Genetics and Breeding* (WoS Q3, Scopus Q2), *Siberian Scientific Medical Journal* (Scopus Q4), *Letters to Vavilov Journal of Genetics and Breeding*, *Atherosclerosis*.

Auxiliaries: Core facility "Center for Genetic Resources of Laboratory Animals", which includes the unique research unit "SPF vivarium", and seven shared access centers (www.bionet.nsc.ru/uslugi/).

The Federal Research Center Institute of Cytology and Genetics is looking to cooperate with scientific and commercial enterprises.

Address: Prospekt Lavrentyeva 10, Novosibirsk, 630090 Russia
phone: +7(383) 363 4980; fax: +7(383) 333 1278
URL: www.icgbio.ru, email: icg-adm@bionet.nsc.ru

N* Новосибирский
государственный
университет
***НАСТОЯЩАЯ НАУКА**

НГУ В ЦИФРАХ И ФАКТАХ


> 8600
СТУДЕНТОВ

> 1700

ИНОСТРАННЫХ
СТУДЕНТОВ
ИЗ 60 СТРАН МИРА



ТОП-250
СРЕДИ ЛУЧШИХ
ВУЗОВ МИРА

6 МЕСТО
В РОССИИ

Международный рейтинг
The Three University Missions

6
факультетов

4
ИНСТИТУТА

*** 2800**
ПРЕПОДАВАТЕЛЕЙ

80% ПРЕПОДАВАТЕЛЕЙ –
ДЕЙСТВУЮЩИЕ
ИССЛЕДОВАТЕЛИ

720
ДОКТОРОВ
НАУК

102
ЧЛЕНА РАН
СРЕДИ ВЫПУСКНИКОВ

*** 98**
ПАРТНЕРСКИХ
УНИВЕРСИТЕТА
в 21 стране

> 50
ОРГАНИЗАЦИЙ –
ИНДУСТРИАЛЬНЫХ
ПАРТНЕРОВ

37
НАУЧНЫХ
ИНСТИТУТОВ-
ПАРТНЕРОВ
в Академгородке

> 1700
ПУБЛИКАЦИЙ
ЕЖЕГОДНО
В МЕЖДУНАРОДНЫХ
БАЗАХ ДАННЫХ

> 30
НАУЧНЫХ
КОНФЕРЕНЦИЙ
ЕЖЕГОДНО

10
НАУЧНЫХ
ЖУРНАЛОВ


КОНКУРСЫ
И ГРАНТЫ

*** * ***

МЕЖДУНАРОДНЫЕ
КОЛЛАБОРАЦИИ
В ОБЛАСТИ ФИЗИКИ
ВЫСОКИХ ЭНЕРГИЙ



БОЛЕЕ
50
ЛАБОРАТОРИЙ
В ТОМ ЧИСЛЕ
9 МОЛОДЕЖНЫХ


ПРОГРАММА
ПРИВЛЕЧЕНИЯ
МОЛОДЫХ СПЕЦИАЛИСТОВ



PlantGen

История конференции

2–5 июля 2025 года в Новосибирске проходит Международная научная конференция «Генетика, геномика, биоинформатика и биотехнология растений» – PlantGen2025, которая будет уже восьмой в этой серии.

Идея проведения конференции с такой тематикой возникла в Институте цитологии и генетики Сибирского отделения Российской академии наук (ИЦиГ СО РАН) еще в 2009 году в связи с тем, что за предыдущие десятилетия усилилось международное научное сотрудничество по ряду направлений биотехнологии, геномики и генетики растений.

В 2010 году была успешно проведена первая конференция этой серии. В ней приняли участие около 100 ученых из России и еще 11 стран мира, в том числе 20 иностранных участников из Австралии, Белоруссии, Индии, Ирана, Казахстана, Канады, Китая, США, Украины, Франции и Чехии.

Изначально было решено, что конференция станет серийной и будет проходить раз в два года. ИЦиГ СО РАН, инициатор и основной организатор конференций этой серии, провел суммарно четыре конференции PlantGen: в 2010, 2015, 2019 и 2021 годах. Три конференции этой серии состоялись также в 2012 году в Иркутске (на базе СИФИБР СО РАН), в 2017 году в Казахстане (Институт биологии и биотехнологии растений, Алматы) и в 2023 году в Казани (ФИЦ «Казанский научный центр Российской академии наук» и Казанский институт биохимии и биофизики ФИЦ КазНЦ РАН).

Актуальность конференции из года в год подтверждается активностью ее участников и расширением их географии. Так, в 2021 году в работе конференции PlantGen2021 приняло участие 317 человек, из них 41 иностранный участник, включая 7 граждан России, работающих в зарубежных организациях. Участники конференции представляли 13 стран: Россия, Азербайджан, Армения, Белоруссия, Германия, Египет, Индия, Казахстан, Нигерия, Польша, Молдова, Узбекистан, Франция. В программе конференции было 240 лекций и докладов, в том числе 97 устных и 143 стендовых. В сборник вошло 230 тезисов.

В 2023 году количество участников составило 512 человек: 482 участника из России и 30 международных. Участники представляли 14 стран: Россия, Беларусь, Гана, Германия, Индия, Иран, Казахстан, Колумбия, Молдова, Сирийская Арабская Республика, Тунис, Узбекистан, Франция, Эквадор. Из 512 человек – 393 участника были с докладами всех форматов.

В 2025 году в конференции принимают участие 360 участников, в том числе международное участие представлено 49 участниками из России и 15 стран: Австралия, Беларусь, Индия, Казахстан, Китай, Молдова, Пакистан, Саудовская Аравия, Парагвай, Судан, Таджикистан, Таиланд, Туркменистан, Узбекистан, Эквадор. В программе конференции PlantGen2025 298 докладов, из них 99 устных, в том числе пленарных и флэш, и 199 постерных. Издан сборник материалов конференции, включающий 255 тезисов.

AGM УЧЕБНЫХ ЦЕНТРОВ



Участники конференции PlantGen2015

Генеральный спонсор / General Sponsor



Золотые спонсоры /
Gold Sponsors



Бронзовые спонсоры /
Bronze Sponsors



Серебряные спонсоры /
Silver Sponsors



Базовый спонсор /
Basic Sponsor

