

Структура программы Мульти-школы молодых ученых, объединяющей 13-ую Школу «Системная биология и Биоинформатика», **SBB-2021** и Школу молодых ученых «Генетика, геномика, биоинформатика и биотехнология растений», **PlantGen School 2021**, <https://conf.icgbio.ru/sbb-plantgen-2021/>

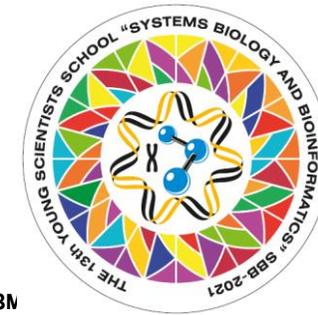
Время	4.10.21 (ПН)	Время	5.10.21 (ВТ)	Время	6.10.21 (СР)	Время	7.10.21 (ЧТ)	Время	8.10.21 (ПТ)	Время	9.10.21 (СБ)
10:00–11:00	Регистрация	09:00–10:00	Лекция 5 Афонников ДА	09:00–10:00	Лекция 8 Клименко АИ	09:00–10:45	Практики, №№: 4, 5, 6, 9	09:00–10:45	Практики, №№: 4, 6, 9	09:00–13:00	Доклады молодых ученых
		10:00–10:20	<i>Кофе-брейк</i>	10:00–10:15	Доклад «SkyGen» Демиденко Н						
11:00–11:30	Открытие школы	10:20–11:20	Лекция 6 Иванисенко НВ	10:15–10:40	<i>Кофе-брейк</i>	10:45–11:15	<i>Кофе-брейк</i>	10:45–11:15	<i>Кофе-брейк</i>	10:45–11:15	<i>Кофе-брейк</i>
11:30–12:30	Лекция 1 Цепилов ЯА	11:20–12:20	Лекция 7 Мустафин ЗС	10:40–12:10	Лекция 9 Gentzbittel Laurent	11:15–13:00	Практики, №№: 4, 5, 6, 9	11:15–13:00	Практики, №№: 4, 6, 9	11:15–13:00	Доклады молодых ученых
12:30–14:00	<i>Обед</i>	12:20–14:00	<i>Обед</i>	12:10–13:30	<i>Обед</i>	13:00–14:00	<i>Обед</i>	13:00–14:00	<i>Обед</i>	13:00–14:00	<i>Обед / Кофе-брейк</i>
14:00–15:30	Лекция 2 Фишман ВС	14:00–16:00	Практики, №№: 3, 5, 7	13:30–15:30	Практики, №№: 1, 2, 3, 8, 9	14:00–15:00	Лекция 10 Потокина ЕК	14:00–15:00	Лекция 12 Сергеева ЕМ	14:00–15:00	Доклады молодых ученых
15:30–16:30	Лекция 3 Самсонова МГ	16:00–16:30	<i>Кофе-брейк</i>	15:30–16:00	<i>Кофе-брейк</i>	15:00–16:00	Лекция 11 Миронова ВВ	15:00–16:00	Лекция 13 Иванисенко ВА	15:00–15:30	Заккрытие школы
16:30–17:10	Постерная сессия / к.-б.	16:30–18:30	Практики, №№: 3, 5, 7	16:00–18:00	Практики, №№: 1, 2, 3, 8, 9	16:00–16:30	<i>Кофе-брейк</i>	16:00–16:30	<i>Кофе-брейк</i>		
17:10–18:40	Лекция 4 Лашин СА	18:30–20:00	Практика №2	18:15–19:45	Экскурсия в Геологический музей	16:30–17:30	Лекция	16:30–17:30	Лекция 14 Криворотько ОИ		
19:00–21:00	<i>Фуршет</i>	18:45–20:15	Экскурсия в Геологический музей			17:30–19:00	Доклады молодых ученых	18:00–20:00	Экскурсия по Академгородку		

ПРАКТИЧЕСКИЕ ЗАНЯТИЯ:

1. **Компьютерная статистическая геномика.** Цепилов Яков Александрович, к.б.н., с.н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
2. **Секвенирование и анализ данных для поиска структурных вариантов в геноме человека с использованием технологий Hi-C и Oxford Nanopore.** Фишман Вениамин Семенович, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ.
3. **Реконструкция и анализ транскриптомов на основе данных RNA-seq.** Афонников Дмитрий Аркадьевич, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ.
4. **Компьютерный анализ и моделирование пространственных структур белков.** Иванисенко Никита Владимирович, н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ.
5. **Компьютерная эволюционная биология: анализ генетических последовательностей.** Мустафин Захар Сергеевич, м.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ.
6. **Компьютерное моделирование метаболических путей бактерий.** Клименко Александра Игоревна, к.б.н., н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ; Казанцев Федор Владимирович, к.б.н., н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
7. **Математика и системная биология COVID-19.** Криворотько Ольга Игоревна, к.ф.-м.н., н.с. ИВМиМГ СО РАН, Новосибирск, РФ
8. **Реконструкция и анализ ассоциативных генных сетей с помощью программы ANDVisio, являющейся модулем системы ANDSystem.** Иванисенко Владимир Александрович, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
9. **Использование GWAS для идентификации генов-кандидатов и маркер-ориентированной селекции / GWAS for candidate gene identification and Marker Assisted Breeding.** Professor Gentzbittel Laurent, Skoltech, Moscow, Russia / France & Ben Cécile, principal research scientist, Skoltech, Moscow, Russia / France

ЛЕКЦИИ ШКОЛЫ:

- 1. Компьютерная статистическая геномика**
Цепилов Яков Александрович, к.б.н., с.н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
- 2. 3D структура геномов: экспериментально-компьютерный анализ и реконструкция**
Фишман Вениамин Семенович, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
- 3. Математические модели геномной селекции**
Самсонова Мария Георгиевна, д.б.н., профессор СПбГУ, Санкт-Петербург, Россия
- 4. Информационные технологии в генетике: Моделирование молекулярно-генетических систем живых организмов**
Лашин Сергей Александрович, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
- 5. Информационные технологии в генетике: Компьютерная транскриптомика**
Афонников Дмитрий Аркадьевич, к.б.н., в.н.с. ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
- 6. Информационные технологии в генетике: Компьютерный анализ и моделирование пространственных структур белков**
Иванисенко Никита Владимирович, н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
- 7. Информационные технологии в генетике. Компьютерная эволюционная биология: анализ генетических последовательностей**
Мустафин Захар Сергеевич, м.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
- 8. Информационные технологии в генетике: Компьютерное моделирование метаболических путей бактерий**
Клименко Александра Игоревна, к.б.н., н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ; Казанцев Федор Владимирович, к.б.н., н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
- 9. Успех и достижения GWAS в области идентификации генов-кандидатов и маркер-ориентированной селекции / Success and achievements of GWAS for candidate gene identification and Marker Assisted Breeding**
Professor Gentzbittel Laurent, Skoltech, Moscow, Skoltech, Russia / France
- 10. Интеграция транскриптомных и метаболомных данных как метод селекции растений**
Потокина Елена Кирилловна, д.б.н, профессор СПбГЛТУ, Санкт-Петербург, Россия
- 11. Что мы можем узнать из списка дифференциально экспрессируемых генов? / What we can learn from the list of differentially expressed genes?**
Миронова Виктория Владимировна, к.б.н., в.н.с. ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ; Assoc. Prof. Department of Plant Systems Physiology, RIBES, Radboud University, the Netherlands
- 12. Молекулярные маркеры в генетических исследованиях растений: генотипирование полиплоидных геномов растений**
Сергеева Екатерина Михайловна, к.б.н., н.с. ИЦиГ СО РАН, НГУ, Новосибирск, РФ
- 13. Информационные технологии в генетике. Компьютерная инженерия знаний: реконструкция генных сетей на основе методов автоматического анализа текстов научных публикаций, патентов и фактографических баз данных**
Иванисенко Владимир Александрович, к.б.н., в.н.с. ФИЦ ИЦиГ СО РАН, Новосибирск, РФ
- 14. Математика и системная биология COVID-19**
Криворотько Ольга Игоревна, к.ф.-м.н, н.с. ИВМиМГ СО РАН, Новосибирск, РФ



Доклад представителя компании «SkyGen» - спонсора Мульти-школы:

- **Oxford Nanopore Technology: обзор технологии и возможных приложений.** Демиденко Наталья, ООО «СкайДжин», Москва, Россия